

**FORMATO EUROPEO
PER IL CURRICULUM
VITAE**



INFORMAZIONI PERSONALI

Nome **MILANESI, MARCO**
E-mail marco.milanesi@unitus.it
marco.milanesi@cmcc.it

Nazionalità Italiana

Data di nascita 10/05/1986

Il presente curriculum è suddiviso nelle seguenti sezioni:

- Esperienza lavorativa
- Progetti di Ricerca
- Attività didattica
- Istruzione
- Corsi di formazione
- Capacità e competenze personali
- Ulteriori informazioni
 - o Abilitazioni
 - o Premi e riconoscimenti
 - o Pubblicazioni
 - o Editore
 - o Edizioni speciali
 - o Revisore - giornali scientifici
 - o Revisore - Altri ruoli
 - o Insegnamento - Altro
 - o Membro di società scientifiche
 - o Membro di commissioni
 - o Tutor e relatore - Altro
 - o Progetti di ricerca - Altro
 - o Membro di consorzi
 - o Organizzazione di congressi
 - o Organizzazione di corsi
 - o ID e siti
 - o Poster e comunicazioni orali
 - o Partecipazione a conferenze e seminari

ESPERIENZA LAVORATIVA

- Date (da – a) 12/2022 – attuale
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Dipartimento per l'Innovazione nei sistemi Biologici, Agroalimentari e Forestali (DIBAF), Università degli Studi della Tuscia
Via S. Camillo de Lellis, snc, 01100 Viterbo VT, Italia
- Tipo di azienda o settore Università
- Tipo di impiego **Ricercatore a tempo determinato – A**
- Principali mansioni e responsabilità Analisi combinata di grande mole di dati (*big data*) di produzione e di salute animale, climatici e omici, con tecniche di *Machine Learning* (ML) ed *Artificial Intelligence* (AI), per lo sviluppo di modelli in grado di prevedere e ridurre l'impatto dei cambiamenti climatici nel settore zootecnico. A tale scopo saranno applicate le più avanzate tecnologie di *High Performance Computing* (HPC) per l'analisi di *big data*.
Tematica "innovazione" ai sensi del DM 1062 del 10/08/2021, conforme alle attività di ricerca previste dal PON "Ricerca e Innovazione" 2014-2020, dalla Strategia Nazionale di Specializzazione Intelligente-SNSI, e dal Piano Nazionale Ricerca-PNR".
Settore concorsuale 07/G1 Scienze e Tecnologie animali, ssd AGR/17 Zootecnia generale e Miglioramento genetico.
Rinnovato per 18 mesi dal 31/12/2024
- Date (da – a) 05/2021 – attuale
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Centro Euro-Mediterraneo sui Cambiamenti Climatici (CMCC)
Advanced Scientific Computing (ASC) division
Via Augusto Imperatore, 16 - 73100 Lecce, Italia
- Tipo di azienda o settore Fondazione
- Tipo di impiego **Affiliazione scientifica**
- Principali mansioni e responsabilità Computational Science applicata ai cambiamenti climatici.
- Date (da – a) 03/2020 – 12/2022
- Nome e indirizzo del datore di lavoro Dipartimento per l'Innovazione nei sistemi Biologici, Agroalimentari e Forestali (DIBAF), Università degli Studi della Tuscia
Via S. Camillo de Lellis, snc, 01100 Viterbo VT, Italia
- Tipo di azienda o settore Università
- Tipo di impiego **Assegnista di ricerca**
- Principali mansioni e responsabilità Assegno di ricerca con argomento "Analisi Bioinformatiche di metadati e di dati genetici (genotipizzazione e sequenziamento) per la valutazione della qualità nutrizionale e salutistica del latte". Responsabile scientifico prof. Giovanni Chillemi.
Analisi di dati *high-throughput* (SNP, NGS, WGS, RNAseq, DNA antico), sviluppo di progetti nazionali e internazionali, tutoring, supporto alla didattica.
Rappresentante degli assegnisti DIBAF, dal 08/2021 al 12/2022
- Date (da – a) 03/2020 – attuale
- Nome e indirizzo del datore di lavoro AgroPartners Consulting
Araçatuba - SP - Brasil
- Tipo di azienda o settore Consultoria, ricerca e sviluppo nel campo della genomica nel sistema agricolo (mammiferi, piante, pesci e crostacei).
- Tipo di impiego **Membro del consiglio scientifico**
- Principali mansioni e responsabilità Assistenza nella programmazione e valutazione dei progetti in essere e futuri.
- Date (da – a) 06/2019 – 02/2020
- Nome e indirizzo del datore di lavoro AgroPartners Consulting
Araçatuba - SP - Brasil
- Tipo di azienda o settore Consultoria, ricerca e sviluppo nel campo della genomica nel sistema agricolo (mammiferi, piante, pesci e crostacei).

- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità
- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità
- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità
- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità
- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità
- Date (da – a)
- Nome e indirizzo del datore di lavoro
- Tipo di azienda o settore
- Tipo di impiego
- Principali mansioni e responsabilità

Consulente e ricercatore – libero professionista

Consulenza e interazione con i clienti. Scrittura, sviluppo e gestione di progetti. Analisi di dati *high-throughput* (SNP e NGS).

06/2017 – 05/2019

Universidade Estadual Paulista Júlio de Mesquita Filho / UNESP – SP. Faculdade de Medicina Veterinária de Araçatuba – FMVA. Laboratório de Bioquímica e Biologia Molecular Animal (LBBMA).

Rua Clóvis Pestana, 793 - 16050-680 - Araçatuba - SP – Brasil

Università, ricerca

Post-doc

Vincitore della borsa con il progetto “Combining high-density SNP genotypes and next generation sequence data to map disadvantageous genetic variants in Nelore cattle”. Borsa “São Paulo Research Foundation” (FAPESP), 2016/05787-7. Supervisione del prof. José Fernando Garcia.

Iscritto al programma di post-doc UNESP dal 08/2017 al 07/2019.

Analisi di dati *high-throughput* (SNP, NGS), sviluppo di progetti, tutoring studenti.

07/2016 – 12/2016

Universidade Estadual Paulista Júlio de Mesquita Filho / UNESP – SP. Faculdade de Medicina Veterinária de Araçatuba – FMVA. Laboratório de Bioquímica e Biologia Molecular Animal (LBBMA).

Rua Clóvis Pestana, 793 - 16050-680 - Araçatuba - SP – Brasil

Università

Ricercatore in visita

Progetto “Understanding methylome patterns of cattle adaptation to heat stress”, finanziato da CNPq “Science without borders” (processo numero 407502/2013-0). Analisi nel campo della genomica e bioinformatica in animali. Analisi di dati *high-throughput* (SNP, NGS). Supervisione del prof. Paolo Ajmone Marsan, prof. José Fernando Garcia e prof. Guilherme de Paula Nogueira.

04/2016 – 02/2017

Università Cattolica del Sacro Cuore, Ist. di Zootecnica – Lab. genetica animale
Via Emilia Parmense, 84 - I-29122 Piacenza

Università

Contratto di collaborazione coordinata e continuativa

Progetto: NextGen. Analisi nel campo della genomica e bioinformatica in animali. Analisi di dati *high-throughput* (SNP, NGS).

04/2015 – 05/2019

International Atomic Energy Agency (IAEA) Collaborating Centre on Animal Genomics and Bioinformatics.

Rua Clóvis Pestana, 793 - 16050-680 - Araçatuba - SP – Brasil

Ricerca

Collaborazione scientifica

Analisi nel campo della genomica e bioinformatica in animali.

04/2015 – 04/2016

Universidade Estadual Paulista Júlio de Mesquita Filho / UNESP – SP. Faculdade de Medicina Veterinária de Araçatuba – FMVA. Laboratório de Bioquímica e Biologia Molecular Animal (LBBMA).

Rua Clóvis Pestana, 793 - 16050-680 - Araçatuba - SP – Brasil

Università

Post-doc

• Principali mansioni e responsabilità	Progetto “<i>Understanding methylome patterns of cattle adaptation to heat stress</i>”, finanziato da CNPq “Science without borders” (processo numero 407502/2013-0). PDJ fellowship - numero del processo 150280/2015-7. Analisi nel campo della genomica e bioinformatica in animali. Analisi di dati <i>high-throughput</i> (SNP, NGS). Supervisione del prof. Paolo Ajmone Marsan, prof. José Fernando Garcia e prof. Guilherme de Paula Nogueira.
• Date (da – a)	02/2015 – 12/2018
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università Cattolica del Sacro Cuore, Ist. di Zootecnica – Lab. genetica animale Via Emilia Parmense, 84 - I-29122 Piacenza
• Tipo di azienda o settore	Università
• Tipo di impiego	Culture della materia
• Principali mansioni e responsabilità	Genomica e Miglioramento genetico animale
• Date (da – a)	1) 11/2014 – 03/2015; 2) 06/2011 – 10/2011; 3) 10/2010 – 05/2011
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università Cattolica del Sacro Cuore, Ist. di Zootecnica – Lab. genetica animale Via Emilia Parmense, 84 - I-29122 Piacenza
• Tipo di azienda o settore	Università
• Tipo di impiego	Contratto di lavoro a progetto
• Principali mansioni e responsabilità	1) Progetto: GenHome. Analisi nel campo della genomica e bioinformatica in animali. Analisi di dati high-throughput (SNP, NGS). 2) Progetto: qualità della carne, aspetti genetici. Attività laboratorio biologia molecolare: estrazione DNA, PCR, PCR Real-Time, analisi di dati. 3) Progetto: “Laboratorio miniaturizzato (Lab-on-a-chip) per analisi di microrganismi patogeni nel latte in Valle d’Aosta”, commissionato da Olivetti I-Jet. Attività laboratorio biologia molecolare e microbiologia: estrazione DNA, PCR, PCR Real-Time, analisi di dati.
• Date (da – a)	10/2010 – 02/2011
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Università Cattolica del Sacro Cuore, Ist. di Zootecnica – Lab. genetica animale Via Emilia Parmense, 84 - I-29122 Piacenza
• Tipo di azienda o settore	Università
• Tipo di impiego	Collaboratore in attività di tutorato
• Principali mansioni e responsabilità	Progetto: “Qualità e sicurezza degli alimenti. Le molecole testimoniano la qualità degli alimenti”. Attività laboratorio biologia molecolare: estrazione DNA, PCR, PCR Real-Time, analisi di dati.
• Date (da – a)	09/2007 – 02/2008
• Nome e indirizzo del datore di lavoro	Incura srl. Via Staffolo, 60 - I – 26041 Casalmaggiore.
• Tipo di azienda o settore	Laboratorio di ricerca di prodotti per biologia molecolare e diagnostica
• Tipo di impiego	Stage universitario obbligatorio
• Principali mansioni e responsabilità	Attività laboratorio biologia molecolare: estrazione DNA, PCR, PCR Real-Time, analisi di dati. Supervisione del prof. Corrado Fogher e dott.ssa Greta Immobile Molaro

PROGETTI DI RICERCA

- Date (da – a) 2024 - 2026
 - Nome del progetto *European Partnership on Animal Health and Welfare - EUP AH&W SOA16 (OO5-Action 4) Reinforcement of animal resilience*
 - Informazioni Da 11/2024, responsabile dell'Unità Operativa dell'Università della Toscana
<https://www.eupahw.eu/index.html>

- Date (da – a) 2023 - 2025
 - Nome del progetto *Equine resilience and welfare in Climate change and stressful scenarios using Omic technologies and innovative low cost Sensors - ECOS*
 - Informazioni Fondi PRIN2022. Da 11/2024, responsabile dell'Unità Operativa dell'Università della Toscana

- Date (da – a) 2021 - 2026
 - Nome del progetto *Improving sustainability and quality of Sheep and Chicken production by leveraging the Adaptation potential of LocAl breeds in the MEDiterranean area – Scala-Medi*
 - Informazioni Bando PRIMA: Section 1 Call 2020 - Farming Systems (A).
Da 11/2024 responsabile dell'Unità Operativa dell'Università della Toscana e leader WP5.

- Date (da – a) 2021 - 2025
 - Nome del progetto *Sequenziamento del genoma bufalino per il miglioramento quali-quantitativo delle produzioni agro-alimentari - GENOBU*
 - Informazioni Da 11/2024 responsabile consulenza.

- Date (da – a) 2016 - attuale
 - Nome del progetto *Identification of Variations in Goat genomes related to domestication and adaptation - VarGoats*
 - Informazioni Coordinato da Gwenola Tosser-Klopp (INRA, Francia) e promosso dal “International Goat Genome Consortium”.
Coinvolto nei Work Package 3, 7, 8, 13, 14 e 15.
Leader WP15 e parte delle Stearing Comittee
<http://www.goatgenome.org/vargoats.html>

- Date (da – a) 2022 - 2024
 - Nome del progetto *Smarter livestock Breeding through Advanced Services Tailoring Innovative and multisource data to users' Needs - SEBASTIEN*
 - Informazioni Progetto finanziato Connecting European Facility (CEF) Telecommunications sector under agreement number INEA/CEF/ICT/A2020/2373580.
Leader WP2.

- Date (da – a) 2022 - 2023
 - Nome del progetto *Pipeline for multi-samples RNAseq data variant calling and subsequent analyses*
 - Informazioni Progetto ELIXIR-IIB HPC@CINECA. Responsabile

ATTIVITÀ DIDATTICA

• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Informazioni	<i>a.a. 2024/2025</i> Dipartimento per l’Innovazione nei sistemi Biologici, Agroalimentari e Forestali (DIBAF), Università degli Studi della Tuscia <i>Via S. Camillo de Lellis, snc, 01100 Viterbo VT, Italia</i> Docente titolare del corso: - “Zootecnia e produzioni animali” (7 CFU, laurea triennale “Tecnologie Alimentari Ed Enologiche”) - “Zootecnia montana” (6 CFU, laurea triennale “Scienze Forestali e Ambientali”) - “Strumenti bioinformatici per la genomica” (6 CFU, laurea triennale “Biotecnologie”); - “Tecniche genetiche e molecolari per il miglioramento della qualità delle produzioni animali” (6 CFU, laurea magistrale “Scienze e Tecnologie Alimentari”); Attività di orientamento scuole superiori (PCTO) Responsabile Erasmus corso “Tecnologie Alimentari Ed Enologiche”.
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Informazioni	<i>a.a. 2023/2024</i> Dipartimento per l’Innovazione nei sistemi Biologici, Agroalimentari e Forestali (DIBAF), Università degli Studi della Tuscia <i>Via S. Camillo de Lellis, snc, 01100 Viterbo VT, Italia</i> Docente titolare del corso: - Zootecnia e produzioni animali” (7 CFU, laurea triennale “Tecnologie Alimentari Ed Enologiche”). Docente ad invito per i corsi di: - “Tecniche genetiche e molecolari per il miglioramento della qualità delle produzioni animali” (6 CFU, laurea magistrale “Scienze e Tecnologie Alimentari”); - "Fisiologia e Miglioramento genetico degli animali allevati - modulo miglioramento genetico" e "Laboratorio di miglioramento genetico" (4+4 CFU, laurea professionalizzante “Tecnologie per la gestione sostenibile dei sistemi zootecnici”). Attività di orientamento scuole superiori (PCTO) Responsabile Erasmus corso “Tecnologie Alimentari Ed Enologiche”.
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Informazioni	<i>a.a. 2022/2023</i> Dipartimento per l’Innovazione nei sistemi Biologici, Agroalimentari e Forestali (DIBAF), Università degli Studi della Tuscia <i>Via S. Camillo de Lellis, snc, 01100 Viterbo VT, Italia</i> Docente titolare del corso: - Zootecnia e produzioni animali” (7 CFU, laurea triennale “Tecnologie Alimentari Ed Enologiche”). Docente ad invito per i corsi di: - “Tecniche genetiche e molecolari per il miglioramento della qualità delle produzioni animali” (6 CFU, laurea magistrale “Scienze e Tecnologie Alimentari”); - "Fisiologia e Miglioramento genetico degli animali allevati - modulo miglioramento genetico" e "Laboratorio di miglioramento genetico" (4+4 CFU, laurea professionalizzante “Tecnologie per la gestione sostenibile dei sistemi zootecnici”); - “Bioinformatica” (corso progetto PON Genobu); - “Python for computational sciences” (dottorato “Scienze, Tecnologie e Biotecnologie per la Sostenibilità”; in inglese).

• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Informazioni	<i>a.a. 2021/2022</i> Dipartimento per l’Innovazione nei sistemi Biologici, Agroalimentari e Forestali (DIBAF), Università degli Studi della Tuscia <i>Via S. Camillo de Lellis, snc, 01100 Viterbo VT, Italia</i> Docente ad invito per i corsi di: - “Zootecnia e produzioni animali” (6 CFU, laurea triennale “Tecnologie Alimentari Ed Enologiche”); - “Tecniche genetiche e molecolari per il miglioramento della qualità delle produzioni animali” (6 CFU, laurea magistrale “Scienze e Tecnologie Alimentari”); - “Strumenti bioinformatici per la genomica” (6 CFU, laurea triennale “Biotecnologie”); - “Python for computational sciences” (dottorato “Scienze, Tecnologie e Biotecnologie per la Sostenibilità”; in inglese).
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Informazioni	<i>a.a. 2020/2021</i> Dipartimento per l’Innovazione nei sistemi Biologici, Agroalimentari e Forestali (DIBAF), Università degli Studi della Tuscia <i>Via S. Camillo de Lellis, snc, 01100 Viterbo VT, Italia</i> Docente ad invito per i corsi di: - “Zootecnia e produzioni animali” (laurea triennale “Tecnologie Alimentari Ed Enologiche”); - “Tecniche genetiche e molecolari per il miglioramento della qualità delle produzioni animali” (laurea magistrale “Scienze e Tecnologie Alimentari”); - “Strumenti bioinformatici per la genomica” (laurea triennale “Biotecnologie”); - “Python for computational sciences” (dottorato “Scienze, Tecnologie e Biotecnologie per la Sostenibilità”; in inglese).
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Informazioni	<i>03/2020 - attuale</i> Dipartimento per l’Innovazione nei sistemi Biologici, Agroalimentari e Forestali (DIBAF), Università degli Studi della Tuscia <i>Via S. Camillo de Lellis, snc, 01100 Viterbo VT, Italia</i> Tutor studenti laurea triennale, magistrale e dottorato. Argomenti: zootecnia, produzioni animali, analisi bioinformatiche, genetica e genomica. • In corso: co-tutoraggio di cinque dottorandi: Evangelista C. (discussione 24/25); Vignali G. (discussione 25/26); Arcuri C., Terrusa M. e Picarone L. (discussione 26/26). • Co-relatore tesi laurea magistrale in Biotecnologie Industriali per la Salute e il Benessere presso l’Università della Tuscia: “Sistemi di fenotipizzazione profonda a supporto delle produzioni animali: metodi computazionali per la raccolta e l’elaborazione del dato”, studente E. Tufarini (21/03/2024) • Co-relatore tesi laurea triennale in Tecnologie Alimentari ed Enologiche presso l’Università della Tuscia: “La tecnica del <i>gene editing</i> applicata alle produzioni animali”, studentessa V. Marcucci (08/06/2023) • Co-relatore tesi laurea triennale in Tecnologie Alimentari ed Enologiche presso l’Università della Tuscia: “La qualità nelle razze bovine dell’Appennino”, studente M. Procaccini (15/12/2022) • Co-relatore tesi laurea triennale in Scienze Forestali e Ambientali presso l’Università della Tuscia: “Razza Maremmana e gras-fed”, studente F. Spada (21/09/2022) • Co-relatore tesi laurea triennale in Tecnologie Alimentari ed Enologiche presso l’Università della Tuscia: “Malattie genetiche bovine: il caso della razza Chianina”, studentessa M. Sipione (13/07/2021)

- Co-relatore tesi laurea triennale in “Scienze Forestali e Ambientali” presso l’Università della Tuscia: “Valutazione dell’uso di incroci negli allevamenti di bovine da latte”, studente E. di Mascio (22/10/2021)
- Co-relatore tesi laurea triennale in “Biotecnologie” presso l’Università della Tuscia: “Valutazione dell’attività trascrizionale all’interno di isocore in bovino”, studente P. Litta (12/07/2021)
- Co-relatore tesi laurea triennale in “Biotecnologie” presso l’Università della Tuscia: “La sostenibilità dell’allevamento di vacche da latte: esempio della razza Podolica”, studentessa M. Giombolini (10/06/2021)

- Date (da – a)
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione
- Informazioni

Dal 17 al 22/08/2015

Universidade Estadual Paulista Júlio de Mesquita Filho / UNESP – SP
Jaboticabal campus (Sao Paulo - Brasile)

Docente invitato nel corso “Livestock conservation genomics”.

Lezioni in lingua inglese: “Introduction to genetic data” e “Admixture estimation - practical”.

ISTRUZIONE

- Date (da – a) 11/2011 – 01/2015
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Scuola di dottorato per il Sistema Agroalimentare - AGRISYSTEM
Università Cattolica del Sacro Cuore
Via Emilia Parmense, 84 I-29122 Piacenza
Indirizzo di ricerca: produzioni animali sostenibili. Attività svolte nell'ambito della genomica animale, in particolare della specie bovina: analisi di biodiversità, GWAS e *selection signature*. Analisi di dati high-throughput (SNP, NGS). Tesi dal titolo "*High-throughput sequencing technologies and genomics: insights into the bovine species*". Attività svolte presso Ist. di Zootecnica – Lab. genetica animale.
Dottore di Ricerca (Ph.D.) - Dottorato Europeo
Scuola di dottorato
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente)
- Date (da – a) 04/2013 – 07/2013 & 10/2013 – 12/2013
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Department of Medical Biochemistry and Microbiology (BMC)
Husargatan 3, Uppsala University, 752 37 Uppsala, Sweden
Tecniche di analisi bioinformatica di dati di sequenziamento completo ed esoma. Supervisore dott. Carl-Johan Rubin.
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita **Studente in visita**
- Date (da – a) 09/2008 – 09/2010
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università Cattolica del Sacro Cuore
Via Emilia Parmense, 84 I-29122 Piacenza
Produzioni animali, con attenzione nella produzione lattiero-casearia. Tesi dal titolo "Storia evolutiva dell'asino domestico basata sullo studio del DNA mitocondriale" svolta presso il laboratorio di Genetica Animale - Istituto di Zootecnica. Supervisione prof. Paolo Ajmone-Marsan e dott.ssa Licia Colli.
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita **Dottore Magistrale in Produzioni Animali – votazione 110/110 e lode**
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) Laurea specialistica
- Date (da – a) 09/2005 – 10/2008
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Università Cattolica del Sacro Cuore
Via Emilia Parmense, 84 I-29122 Piacenza
Chimica e biochimica; biologia animale, vegetale, microbiologia, entomologia; produzioni animali e vegetali; agro-economia; genetica; costruzioni rurali. Nel terzo anno di corso scelta del curriculum "Produzioni animali". Relazione di stage dal titolo "Ottimizzazione di un kit di estrazione di DNA genomico per matrici alimentari" stesa al termine dello stage presso la ditta "Incura" srl. Supervisione prof. Corrado Fogher e dott.ssa Greta Immobile Molaro.
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita **Dottore in Scienze Agrarie – votazione 110/110 e lode**
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) Laurea triennale
- Date (da – a) 09/2000 – 07/2005
- Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione Istituto di Istruzione Superiore "Stanga" – Sezione Istituto Tecnico Agrario - Indirizzo "Cerere unitario" – modulo zootecnico
Via Milano, 24 I - 26100 Cremona
Chimica e biochimica; biologia animale, vegetale, microbiologia, entomologia; produzioni animali e vegetali; agro-economia.
- Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio
- Qualifica conseguita **Perito agrario – votazione 100/100**
- Livello nella classificazione nazionale (se pertinente) Diploma di scuola superiore

CORSI DI FORMAZIONE

• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita	12/10/2015 – 16/10/2015 Researcher Links Workshop São Paulo, Brasile Applicazione dei dati NGS nell'ambito zootecnico e della sicurezza alimentare. Attestato di frequenza – Next Generation Sequencing applications to improve livestock welfare, food security and socioeconomic stability in Brazil
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita	04/02/2015 – 06/02/2015 Organizzato dall'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Agraria dell'Università Cattolica di Piacenza, nell'ambito del progetto nazionale "GEN2PHEN". <i>Via Emilia Parmense, 84 I-29122 Piacenza</i> Corso "An introduction to bayesian analysis and MCMC", docente prof. Augustin Blasco, professore di miglioramento genetico animale presso l'Università Politecnica di Valencia Attestato di frequenza – GEN2PHEN winter school
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita	03/02/2014 – 07/02/2014 Organizzato dall'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Agraria dell'Università Cattolica di Piacenza, nell'ambito del progetto nazionale "GEN2PHEN". <i>Via Emilia Parmense, 84 I-29122 Piacenza</i> Agricoltura di precisione per la sostenibilità dell'allevamento delle bovine da latte. Attestato di frequenza – GEN2PHEN winter school
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita	18/03/2013 – 22/03/2013 Organizzato dall'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Agraria dell'Università Cattolica di Piacenza, nell'ambito del progetto nazionale "INNOVAGEN". <i>Via Emilia Parmense, 84 I-29122 Piacenza</i> Linkage Disequilibrium, GWAS e Selezione Genomica con SNP e dati di sequenza. Docente del corso dott. Ben Hayes ("Department of Primary Industries", Tatura Centre, Tatura, Victoria, Australia) Attestato di frequenza – INNOVAGEN winter school
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita	21/01/2013 – 01/02/2013 Organizzato dall'Istituto di Zootecnica della Facoltà di Agraria dell'Università Cattolica di Piacenza, nell'ambito del progetto nazionale "INNOVAGEN". <i>Via Emilia Parmense, 84 I-29122 Piacenza</i> Statistica nella genetica animale (introduzione, modelli); introduzione a R, introduzione alla statistica Bayesiana. Docente della aula "Introduzione a R". Attestato di frequenza – INNOVAGEN winter school
• Date (da – a) • Nome e tipo di istituto di istruzione o formazione • Principali materie / abilità professionali oggetto dello studio • Qualifica conseguita	01-07/10/2012 Organizzato dalla Facoltà di Agraria di Zagabria e dall'Università di Scienze Naturali di Vienna (BOKU), "European Science Foundation (ESF) – genomic resources" e "Advances in farm animal genomic resources". <i>Lun, Isola di Pag, Croazia</i> Genetica di popolazione e conservazione, analisi di dati genetici e genomici (firme della selezione – Selection Signature, GWAS, mappa di autozigosità). Corso teorico e pratico. Attestato di frequenza – Summer School "Livestock Conservation Genomics: Data, Tools and Trends"

CAPACITÀ E COMPETENZE

PERSONALI

Acquisite nel corso della vita e della carriera ma non necessariamente riconosciute da certificati e diplomi ufficiali.

MADRELINGUA

ITALIANO

ALTRE LINGUE

INGLESE

- Capacità di lettura C1
- Capacità di scrittura C1
- Capacità di espressione orale C1

PORTOGHESE

08/2015 - 11/2015: corso di portoghese (40 ore) "Português online para estrangeiros: aspectos linguísticos e culturais, A2" (PLEA2) – UNESP (Universidade Estadual Paulista – San Paolo - Brasile)

- Capacità di lettura C1
- Capacità di scrittura C1
- Capacità di espressione orale C1

FRANCESE

- Capacità di lettura A1
- Capacità di scrittura A1
- Capacità di espressione orale A1

CAPACITÀ E COMPETENZE RELAZIONALI

Ottima capacità di lavorare in gruppo maturata nell'ambiente universitario/accademico (in Italia e all'estero) e in associazioni di volontariato.

Capacità di gestione dei rapporti con terzi (clienti, fornitori) maturata nell'ambito accademico (in particolare, gestione del laboratorio di genetica animale) e nell'ambito dell'impresa *AgroPartners Consulting*.

Partecipazione a corsi e seminari per la gestione e attività di gruppo.

CAPACITÀ E COMPETENZE ORGANIZZATIVE

Componente di organismi di partecipazione in diversi ambiti e settori.

Componente del consiglio direttivo comunale di associazione di volontariato (AVIS): 02/2005-02/2009 consigliere, 02/2009-02/2013 presidente, 02/2013-02/2017 vicepresidente.

Capacità di gestione di un gruppo di persone maturata durante la gestione di eventi a livello locale e nell'ambito accademico.

Capacità di organizzazione (coordinamento e amministrazione di persone, progetti) maturata nell'ambito accademico e nell'ambito dell'impresa *AgroPartners Consulting*.

CAPACITÀ E COMPETENZE TECNICHE

Competenza nelle attività generiche di laboratorio e specifiche di un laboratorio di genetica, maturate durante gli studi, l'attività di stage e l'attività lavorativa.

Ottima conoscenza del sistema operativo Ubuntu Linux e Mac OS X. Buona conoscenza del sistema operativo Windows. Buona conoscenza del pacchetto Office.

Conoscenza della programmazione con Ubuntu Linux shell, Python e R. Conoscenza di programmi per analisi statistiche (R). Conoscenza dei principali programmi/suite per svolgere analisi genetiche e genomiche. Competenza nell'analisi di dati high-throughput (SNP, NGS, RNAseq, ecc...)

PATENTE O PATENTI

Automobilistica (patente B)

ULTERIORI INFORMAZIONI

Abilitazioni - Abilitazione professore II fascia settore concorsuale AGRI/09a (ex 07/G1 - AGR17) (18/11/2020)

Premi e riconoscimenti

- Vincitore secondo posto “AI HACKATHON FOR LIVESTOCK DATA” (<https://vhive.buzz/ai-hackathon/>) con il lavoro “*Impact of Thermal Stress on the Reproductive Performance of Italian dairy cattle. An analysis with machine learning techniques*” (UK, 2024).
- Vincitore premio miglior paper congresso MeAveAS “*Machine Learning NIR wavelength selection: application for a low-cost portable instrument for livestock feed management*” (Napoli, 2023)
- Vincitore premio di laurea “Prof. Laura Guarracino Gatti” e “Dott. Luigi Gatti” (edizione 2010), riservato ai laureati magistrali della Facoltà di Agraria della sede di Piacenza dell’Università Cattolica.
- Vincitore del premio “Giancarlo Geri” (edizione 2010) per una tesi di laurea nelle discipline zootecniche, bandito dall’Accademia dei Georgofili.
- Vincitore del premio “Danzio Cesura” (edizione 2011) promosso dall’AVIS Provinciale di Cremona.

Pubblicazioni N. pubblicazioni: 53 (51 in scopus.com) (come primo/condiviso/corrispondente: 11);
N. citazioni: 1180 (scopus.com); H-index: 21 (scopus.com)

[* uguale contribuzione; ° autore corrispondente; le citazioni riportate per ogni articolo fanno riferimento a scopus.com, se la fonte è diversa è riportato]

- Rambaldi Migliore N.*; Bigi D.*; **Milanesi M.***; Zambonelli P.; Negrini R.; Morabito S.; Verini-Supplizi A.; Liotta L.; Chegdani F.; Agha S.; Salim B.; Beja-Pereira A.; Torroni A.; Ajmone-Marsan P.; Achilli A.; Colli L. (2024) Mitochondrial DNA control-region and coding-region data highlight geographically structured diversity and post-domestication population dynamics in worldwide donkeys. PLoS ONE - 10.1371/journal.pone.0307511. Citato in 1 articolo.
- Michielon A.; Litta P.; Bonelli F.; Don G.; Farisè S.; Giannuzzi D.; **Milanesi M.**; Pietrucci D.; Vezzoli A.; Cecchinato A.; Chillemi G.; Gallo L.; Mele M.; Furlanello C., 2024 *Mind the Step: An Artificial Intelligence-Based Monitoring Platform for Animal Welfare*. Sensors. 10.3390/s24248042
- Evangelista C.; **Milanesi M.**; Pietrucci D.; Chillemi G.; Bernabucci U., 2024. *Enteric Methane Emission in Livestock Sector: Bibliometric Research from 1986 to 2024 with Text Mining and Topic Analysis Approach by Machine Learning Algorithms*. Animals. 10.3390/ani14213158
- Passamonti M.M.; **Milanesi M.**; Cattaneo L.; Ramirez-Diaz J.; Stella A.; Barbato M.; Braz C.U.; Negrini R.; Giannuzzi D.; Pegolo S.; Cecchinato A.; Trevisi E.; Williams J.L.; Ajmone Marsan P., 2024. *Unraveling metabolic stress response in dairy cows: Genetic control of plasma biomarkers throughout lactation and the transition period*. Journal of Dairy Science. 10.3168/jds.2023-24630
- Turco S., Russo S., Pietrucci D., Filippi A., **Milanesi M.**, Luzzago C., Garbarino C., Palladini G., Chillemi G., Ricchi M., 2024. *High clonality of Mycobacterium avium subsp. paratuberculosis field isolates from red deer revealed by two different methodological approaches of comparative genomic analysis*. Frontiers in Veterinary Science. 10.3389/fvets.2024.1301667
- Porzio E., Mecocci S., Renzi F., Chillemi G., **Milanesi M.**, Vignali G., Valentini R., Beccati F., Chiaradia E., Tralbalza-Minnucci M., Cappelli K., Pepe M., 2024. *Innovative sensors for the assessment of exercise stress in athlete horse*. Acta IMEKO. 10.21014/actaimeko.v13i1.1719. Citato in 1 articolo.
- Mecocci S.; Pietrucci D.; **Milanesi M.**; Capomaccio S.; Pascucci L.; Evangelista C.; Basiricò L.; Bernabucci U.; Chillemi G.; Cappelli K. (2024) Comparison of colostrum and milk extracellular vesicles small RNA cargo in water buffalo. Scientific Reports - 10.1038/s41598-024-67249-6. Citato in 2 articoli.
- Capra, E., Lazzari, B., **Milanesi, M.**, Nogueira, G.P., Garcia, J. f., Utsunomiya, Y.T., Ajmone-Marsan, P., Stella, A., 2023. *Comparison between indicine and taurine cattle DNA methylation reveals epigenetic variation associated to differences in morphological adaptive traits*. Epigenetics 1–12. <https://doi.org/10.1080/15592294.2022.2163363>. Citato in 6 articoli.
- Queiroz A.C., **Milanesi M.**, Queiroz L.H., Nunes C.M., 2023. *Occurrence of Salmonella spp. in the broiler production chain*. Arquivo Brasileiro de Medicina Veterinaria e Zootecnia 75 902-908. 10.1590/1678-4162-12842
- Ramirez-Diaz, J., Cenadelli, S., Bornaghi, V., Bongioni, G., Montedoro, S.M., Achilli, A., Capelli, C., Rincon, J.C., **Milanesi, M.**, Passamonti, M.M., Colli, L., Barbato, M., Williams, J.L., Marsan, P.A., 2023. *Identification of genomic regions associated with total and progressive sperm motility in Italian Holstein bulls*. Journal of Dairy Science 106, 407–420. <https://doi.org/10.3168/jds.2021-21700>.

Citato in 13 articoli.

- Trigo B.B., Alves N.F., Milanesi M., Garcia J.F., Terefe E., Hanotte O., Tijjani A., Utsunomiya Y.T., 2023. *A structural variant at ASIP associated with the darkness of hair coat is found in multiple zebu cattle populations*. Animal Genetics. 10.1111/age.13333. Citato in 1 articolo.
- Marchitelli, C., Pietrucci, D., Milanesi, M., Casadei, L., Porcelli, F., Chillemi, G., Crisà, A., 2022. *Using of NMR Milk Metabolomics to Evaluate Mammary Gland Health Status in Dairy Cows*, in: Biocca, M., Cavallo, E., Cecchini, M., Failla, S., Romano, E. (Eds.), Safety, Health and Welfare in Agriculture and Agro-Food Systems, Lecture Notes in Civil Engineering. Springer International Publishing, Cham, pp. 67–75. https://doi.org/10.1007/978-3-030-98092-4_8
- Milanesi, M., Obrien, A.M.P., Utsunomiya, A.T., Feres, L.F., Sonstegard, T.S., Garcia, J.F., 2022. Genomic breed composition of pure registered Brazilian Gir. Trop Anim Health Prod 54, 310. <https://doi.org/10.1007/s11250-022-03299-0>. Citato in 3 articoli
- Pietrucci, D., Teofani, A., Milanesi, M., Fosso, B., Putignani, L., Messina, F., Pesole, G., Desideri, A., Chillemi, G., 2022. Machine Learning Data Analysis Highlights the Role of Parasutterella and Alloprevotella in Autism Spectrum Disorders. Biomedicine 10, 2028. <https://doi.org/10.3390/biomedicine10082028>. Citato in 20 articoli.
- VarGoats Consortium, Nijman, I.J., Rosen, B.D., Bardou, P., Faraut, T., Cumer, T., Daly, K.G., Zheng, Z., Cai, Y., Asadollahpour, H., Kul, B.Ç., Zhang, W., E., G., Ayin, A., Baird, H., Bakhtin, M., Bâlleanu, V.A., Barfield, D., Berger, B., Blichfeldt, T., Boink, G., Bugiwati, S.R.A., Cai, Z., Carolan, S., Clark, E., Cubric-Curik, V., Dagong, M.I.A., Dorji, T., Drew, L., Guo, J., Hallsson, J., Horvat, S., Kantanen, J., Kawaguchi, F., Kazymbet, P., Khayatadeh, N., Kim, N., Shah, M.K., Liao, Y., Martínez, A., Masangkay, J.S., Masaoka, M., Mazza, R., McEwan, J., Milanesi, M., Omar, F.Md., Nomura, Y., Ouchene-Khelifi, N., Pereira, F., Sahana, G., Salavati, M., Sasazaki, S., Da Silva, A., Simčič, M., Sölkner, J., Sutherland, A., Tigchelaar, J., Zhang, H., Econogene Consortium, Ajmone-Marsan, P., Bradley, D.G., Colli, L., Drögemüller, C., Jiang, Y., Lei, C., Mannen, H., Pompanon, François, Tosser-Klopp, G., Lenstra, J.A., Kijas, J., Guldbandsen, B., Denoyelle, L., Sarry, J., le Talouarn, E., Alberti, A., Orvain, C., Engelen, S., Duby, D., Martin, P., Danchin, C., Duclos, D., Allain, D., Arquet, R., Mandonnet, N., Naves, M., Palhiere, I., Rupp, R., Pompanon, François, Rezaei, H.R., Foran, M., Stella, A., Del Corvo, M., Crisa, A., Marletta, D., Crepaldi, P., Ottino, M., Randi, E., Mujibi, D.F., Gondwe, T., Benjelloun, B., Taela, M.D.G., Nash, O., Moaen-ud-Din, M., Visser, C., Goyache, F., Alvarez, I., Amills, M., Sánchez, A., Capote, J., Jordana, J., Pons, A., Balears, I., Molina, A., Mruttu, H.A., Masiga, C.W., Van Tassell, C.P., Reecy, J., Luikart, G., Sikosana, J., Anila, H., Petrit, D., Roswitha, B., Philippe, B., Aziz, F., Christos, P., El-Barody, M.A.A., Pierre, T., Phillip, E., Gordon, L., Albano, B., Stéphanie, Z., Michel, T., Georg, E., Horst, B., Eveline, I., Lühken, G., Krugmann, D., Eva-Maria, P., Shirin, L., Katja, G., Christina, P., Jutta, R., Marco, B., Andreas, G., Al Tarrayrah, J., Georgios, K., Olga, K., Katerina, K., Christina, L., Anton, I., Lazlo, F., Gabriele, C., Elisabetta, M., Marco, P., Antonello, C., Tiziana, S., Mario, C., Francesca, F., Stefano, G., Marta, M., Bordonaro, S., Giuseppe, D.U., Fabio, P., Mariasilvia, D.A., Alessio, V., Irene, C., Lorraine, P., Mahamoud, A., Van Cann, L.M., Roman, N., Popielarczyk, D., Ewa, S., Augustin, V., Susana, D., Javier, C., Oscar, C., David, G., Régis, C., Gabriela, O., Glowatzki, M., Okan, E., Inci, T., Evren, K., Mike, B., Trinidad, P., Gabriela, J., Godfrey, H., Stella, D., Louise, W., Martin, T., Sam, J., Riccardo, S., 2022. *Geographical contrasts of Y-chromosomal haplogroups from wild and domestic goats reveal ancient migrations and recent introgressions*. Molecular Ecology 31, 4364–4380. <https://doi.org/10.1111/mec.16579>. Citato in 11 articoli.
- Utsunomiya, Y.T., Fortunato, A.A.A.D., Milanesi, M., Trigo, B.B., Alves, N.F., Sonstegard, T.S., Garcia, J.F., 2021. *Bos taurus haplotypes segregating in Nellore (Bos indicus) cattle*. Animal Genetics. <https://doi.org/10.1111/age.13164>. Citato in 4 articoli.
- Del Corvo, M., Lazzari, B., Capra, E., Zavarez, L., Milanesi, M., Utsunomiya, Y.T., Utsunomiya, A.T.H., Stella, A., de Paula Nogueira, G., Garcia, J.F., Ajmone-Marsan, P., 2021. *Methylome Patterns of Cattle Adaptation to Heat Stress*. Front. Genet. 12, 633132. <https://doi.org/10.3389/fgene.2021.633132>. Citato in 24 articoli.
- Mecocci, S., Pietrucci, D., Milanesi, M., Pascucci, L., Filippi, S., Rosato, V., Chillemi, G., Capomaccio, S., Cappelli, K., 2021. *Transcriptomic Characterization of Cow, Donkey and Goat Milk Extracellular Vesicles Reveals Their Anti-Inflammatory and Immunomodulatory Potential*. IJMS 22, 12759. <https://doi.org/10.3390/ijms222312759>. Citato in 42 articoli.
- Mészáros, G., Milanesi, M., Ajmone-Marsan, P., Utsunomiya, Y.T., 2021. *Editorial: Haplotype Analysis Applied to Livestock Genomics*. Front. Genet. 12, 660478. <https://doi.org/10.3389/fgene.2021.660478>. Citato in 5 articoli.
- Milanesi, M., Passamonti, M.M., Cappelli, K., Minuti, A., Palombo, V., Sgorlon, S., Capomaccio, S., D'Andrea, M., Trevisi, E., Stefanon, B., Williams, J.L., Ajmone-Marsan, P., 2021. *Genetic Regulation of Biomarkers as Stress Proxies in Dairy Cows*. Genes 12, 534. <https://doi.org/10.3390/genes12040534>. Citato in 6 articoli.
- Passamonti, M.M., Somenzi, E., Barbato, M., Chillemi, G., Colli, L., Joost, S., Milanesi, M., Negrini, R., Santini, M., Vajana, E., Williams, J.L., Ajmone-Marsan, P., 2021. *The Quest for Genes Involved in Adaptation to Climate Change in Ruminant Livestock*. Animals 11, 2833. <https://doi.org/10.3390/ani11102833>. Citato in 26 articoli.
- Trigo, Beatriz Batista, Oliveira-Rovai, F.M. de, Milanesi, M., Ito, P.K.R.K., Utsunomiya, Y.T., Lopes,

- F.L., Paulan, S. de C., Nunes, C.M., 2021. *In silico and in vitro evaluation of primers for molecular differentiation of Leishmania species*. Rev. Bras. Parasitol. Vet. 30, e022020. <https://doi.org/10.1590/s1984-296120201078>. Citato in 1 articolo.
- Trigo, Beatriz B., Utsunomiya, A.T.H., Fortunato, A.A.A.D., Milanesi, M., Torrecilha, R.B.P., Lamb, H., Nguyen, L., Ross, E.M., Hayes, B., Padula, R.C.M., Sussai, T.S., Zavarez, L.B., Cipriano, R.S., Caminhas, M.M.T., Lopes, F.L., Pelle, C., Leeb, T., Bannasch, D., Bickhart, D., Smith, T.P.L., Sonstegard, T.S., Garcia, J.F., Utsunomiya, Y.T., 2021. *Variants at the ASIP locus contribute to coat color darkening in Nellore cattle*. Genet Sel Evol 53, 40. <https://doi.org/10.1186/s12711-021-00633-2>. Citato in 36 articoli.
 - Arhondakis, S., Milanesi, M., Castrignanò, T., Gioiosa, S., Valentini, A., Chillemi, G., 2020. *Evidence of distinct gene functional patterns in GC-poor and GC-rich isochores in Bos taurus*. Anim Genet age.12917. <https://doi.org/10.1111/age.12917>. Citato in 6 articoli.
 - Palombo, V., Milanesi, M., Sferra, G., Capomaccio, S., Sgorlon, S., D'Andrea, M., 2020. *PANEV: an R package for a pathway-based network visualization*. BMC Bioinformatics 21, 46. <https://doi.org/10.1186/s12859-020-3371-7>. Citato in 20 articoli.
 - Torrecilha, R.B.P., Milanesi, M., Gallana, M., Falbo, A. -K., Reichler, I.M., Hug, P., Jagannathan, V., Trigo, B.B., Paulan, S.C., Bruno, D.B., Garcia, S.D., Scaramiele, N.F., Lopes, F.L., Dolf, G., Leeb, T., Sölkner, J., Garcia, J.F., Pierkowska-Schelling, A., Schelling, C., Utsunomiya, Y.T., 2020. *Association of missense variants in GDF9 with litter size in Entlebucher Mountain dogs*. Anim. Genet. age.12882. <https://doi.org/10.1111/age.12882>. Citato in 4 articoli.
 - Utsunomiya, Y.T., Milanesi, M., Barbato, M., Utsunomiya, A.T.H., Sölkner, J., Ajmone-Marsan, P., Garcia, J.F., 2020. *Unsupervised detection of ancestry tracks with the GHap R package*. Methods Ecol Evol 2041–210X.13467. <https://doi.org/10.1111/2041-210X.13467>. Citato in 4 articolo
 - Utsunomiya, Y.T., Utsunomiya, A.T.H., Torrecilha, R.B.P., Paulan, S. de C., Milanesi, M., Garcia, J.F., 2020. *Growth Rate and Acceleration Analysis of the COVID-19 Pandemic Reveals the Effect of Public Health Measures in Real Time*. Front. Med. 7, 247. <https://doi.org/10.3389/fmed.2020.00247>. Citato in 29 articoli
 - Utsunomiya, Y.T., Milanesi, M., Fortes, M.R.S., Porto-Neto, L.R., Utsunomiya, A.T.H., Silva, M.V.G.B., Garcia, J.F., Ajmone-Marsan, P., 2019. *Genomic clues of the evolutionary history of Bos indicus cattle*. Anim. Genet. 50, 557–568. <https://doi.org/10.1111/age.12836>. Citato in 68 articoli.
 - Utsunomiya, Y.T., Torrecilha, R.B.P., Milanesi, M., Paulan, S. de C., Utsunomiya, A.T.H., Garcia, J.F., 2019. *Hornless Nellore cattle (Bos indicus) carrying a novel 110 kbp duplication variant of the polled locus*. Anim. Genet. 50, 187–188. <https://doi.org/10.1111/age.12764>. Citato in 18 articoli.
 - Aguiar, T.S., Torrecilha, R.B.P., Milanesi, M., Utsunomiya, A.T.H., Trigo, B.B., Tijjani, A., Musa, H.H., Lopes, F.L., Ajmone-Marsan, P., Carvalheiro, R., Neves, H.H. de R., do Carmo, A.S., Hanotte, O., Sonstegard, T.S., Garcia, J.F., Utsunomiya, Y.T., 2018. *Association of Copy Number Variation at Intron 3 of HMGA2 With Navel Length in Bos indicus*. Front. Genet. 9, 627. <https://doi.org/10.3389/fgene.2018.00627>. Citato in 19 articoli.
 - Bertolini, F., Servin, B., Talenti, A., Rochat, E., Kim, E.S., Oget, C., Pathière, I., Crisà, A., Catillo, G., Steri, R., Amills, M., Colli, L., Marras, G., Milanesi, M., Nicolazzi, E., Rosen, B.D., Van Tassell, C.P., Guldbandsen, B., Sonstegard, T.S., Tosser-Klopp, G., Stella, A., Rothschild, M.F., Joost, S., Crepaldi, P., AdaptMap consortium, 2018. *Signatures of selection and environmental adaptation across the goat genome post-domestication*. Genet. Sel. Evol. GSE 50, 57. <https://doi.org/10.1186/s12711-018-0421-y>. Citato in 124 articoli
 - Chillemi, G., Bongiorno, S., Gioiosa, S., Flati, T., Castrignanò, T., Milanesi, M., Marsan, P.A., Valentini, A., 2017. *Missense mutations of NCPAG gene affect calving ease in Piedmontese cattle: preliminary evidences*. Ital. J. Anim. Sci. 0, 1–5. doi:10.1080/1828051X.2017.1370362
 - Colli, L.*, Milanesi, M.*, Talenti, A., Bertolini, F., Chen, M., Crisà, A., Daly, K.G., Del Corvo, M., Guldbandsen, B., Lenstra, J.A., Rosen, B.D., Vajana, E., Catillo, G., Joost, S., Nicolazzi, E.L., Rochat, E., Rothschild, M.F., Servin, B., Sonstegard, T.S., Steri, R., Van Tassell, C.P., Ajmone-Marsan, P., Crepaldi, P., Stella, A., AdaptMap Consortium, 2018. *Genome-wide SNP profiling of worldwide goat populations reveals strong partitioning of diversity and highlights post-domestication migration routes*. Genet. Sel. Evol. GSE 50, 58. <https://doi.org/10.1186/s12711-018-0422-x>. Citato in 101 articoli
 - Colli, L.*, Milanesi, M.*, Vajana, E.*, Iamartino, D., Bomba, L., Puglisi, F., Del Corvo, M., Nicolazzi, E.L., Ahmed, S.S.E., Herrera, J.R.V., Cruz, L., Zhang, S., Liang, A., Hua, G., Yang, L., Hao, X., Zuo, F., Lai, S.-J., Wang, S., Liu, R., Gong, Y., Mokher, M., Mao, Y., Guan, F., Vlaic, A., Vlaic, B., Ramunno, L., Cosenza, G., Ahmad, A., Soysal, I., Ünal, E.Ö., Ketudat-Cairns, M., Garcia, J.F., Utsunomiya, Y.T., Baruselli, P.S., Amaral, M.E.J., Parnpai, R., Drummond, M.G., Galbusera, P., Burton, J., Hoal, E., Yusnizar, Y., Sumantri, C., Moio, B., Valentini, A., Stella, A., Williams, J.L., Ajmone-Marsan, P., 2018. *New Insights on Water Buffalo Genomic Diversity and Post-Domestication Migration Routes From Medium Density SNP Chip Data*. Front. Genet. 9. <https://doi.org/10.3389/fgene.2018.00053>. Citato in 70 articoli
 - Palombo, V., Milanesi, M.*, Sgorlon, S., Capomaccio, S., Mele, M., Nicolazzi, E., Ajmone-Marsan, P., Pilla, F., Stefanon, B., D'Andrea, M., 2018. *Genome-wide association study of milk fatty acid*

- composition in Italian Simmental and Italian Holstein cows using single nucleotide polymorphism arrays. J. Dairy Sci. 101, 11004–11019. <https://doi.org/10.3168/jds.2018-14413>. Citato in 61 articoli
- Stella, A., Nicolazzi, E.L., Van Tassell, C.P., Rothschild, M.F., Colli, L., Rosen, B.D., Sonstegard, T.S., Crepaldi, P., Tosser-Klopp, G., Joost, S., Amills, M., Ajmone-Marsan, P., Bertolini, F., Boettcher, P., Boyle Onzima, R., Bradley, D., Buja, D., Cano Pereira, M.E., Carta, A., Catillo, G., Colli, L., Crepaldi, P., Crisà, A., Del Corvo, M., Daly, K., Droegemueller, C., Duruz, S., Elbeltagi, A., Esmailzadeh, A., Facó, O., Figueiredo Cardoso, T., Flury, C., Garcia, J.F., Guldbbrandtsen, B., Haile, A., Hallsteinn Hallsson, J., Heaton, M., Hunnicke Nielsen, V., Huson, H., Joost, S., Kijas, J., Lenstra, J.A., Marras, G., Milanesi, M., Minhui, C., Moaen-ud-Din, M., Morry O'Donnell, R., Moses Danlami, O., Mwacharo, J., Nicolazzi, E.L., Palhière, I., Pilla, F., Poli, M., Reecy, J., Rischkowsky, B.A., Rochat, E., Rosen, B., Rothschild, M., Rupp, R., Sayre, B., Servin, B., Silva, K., Sonstegard, T., Spangler, G., Stella, A., Steri, R., Talenti, A., Tortereau, F., Tosser-Klopp, G., Vajana, E., Van Tassell, C.P., Zhang, W., the AdaptMap Consortium, 2018. *AdaptMap: exploring goat diversity and adaptation*. Genet. Sel. Evol. 50, 61. <https://doi.org/10.1186/s12711-018-0427-5>. Citato in 46 articoli
 - Vajana, E., Barbato, M., Colli, L., Milanesi, M., Rochat, E., Fabrizi, E., Mukasa, C., Del Corvo, M., Masembe, C., Muwanika, V.B., Kabi, F., Sonstegard, T.S., Huson, H.J., Negrini, R., Joost, S., Ajmone-Marsan, P., 2018. *Combining Landscape Genomics and Ecological Modelling to Investigate Local Adaptation of Indigenous Ugandan Cattle to East Coast Fever*. Front. Genet. 9. <https://doi.org/10.3389/fgene.2018.00385>. Citato in 23 articoli.
 - Colli L., Eufemi E., Milanesi, M., Morgante M., Ajmone-Marsan P., 2018. *Risultati preliminari dall'analisi del DNA antico dei reperti di bovino rinvenuti presso lo scavo della villa tardo romana di Muris di Moruzzo (UD)*. Quaderni Friulani di archeologia (ISSN 1122-7133), y XXVIII - n 1 - p 89 (Dicembre 2018). (not in scopus)
 - Capomaccio, S.*, Milanesi, M.*, Nocelli, C., Giontella, A., Verini-Supplizi, A., Branca, M., Silvestrelli, M., Cappelli, K., 2017 *Splicing site disruption in the KIT gene as strong candidate for white dominant phenotype in an Italian Trotter*. Anim. Genet. n/a-n/a. doi:10.1111/age.12590. Citato in 11 articoli
 - Utsunomiya, Y.T., Milanesi, M., Utsunomiya, A.T.H., Torrecilha, R.B.P., Kim, E.-S., Costa, M.S., Aguiar, T.S., Schroeder, S., do Carmo, A.S., Carvalheiro, R., Neves, H.H.R., Padula, R.C.M., Sussai, T.S., Zavarez, L.B., Cipriano, R.S., Caminhas, M.M.T., Hambrecht, G., Colli, L., Eufemi, E., Ajmone-Marsan, P., Cesana, D., Sannazaro, M., Buora, M., Morgante, M., Liu, G., Bickhart, D., Van Tassell, C.P., Sölkner, J., Sonstegard, T.S., Garcia, J.F., 2017. *A PLAG1 mutation contributed to stature recovery in modern cattle*. Sci. Rep. 7. <https://doi.org/10.1038/s41598-017-17127-1>. Citato in 47 articoli
 - Williams, J.L., Iamartino, D., Pruitt, K.D., Sonstegard, T., Smith, T.P.L., Low, W.Y., Biagini, T., Bomba, L., Capomaccio, S., Castiglioni, B., Coletta, A., Corrado, F., Ferré, F., Iannuzzi, L., Lawley, C., Macciotta, N., McClure, M., Mancini, G., Matassino, D., Mazza, R., Milanesi, M., Moiola, B., Morandi, N., Ramunno, L., Peretti, V., Pilla, F., Ramelli, P., Schroeder, S., Strozzi, F., Thibaud-Nissen, F., Zicarelli, L., Ajmone-Marsan, P., Valentini, A., Chillemi, G., Zimin, A., 2017. *Genome assembly and transcriptome resource for river buffalo, Bubalus bubalis (2n = 50)*. GigaScience. doi:10.1093/gigascience/gix088. Citato in 39 articoli
 - Milanesi, M.*, Capomaccio, S., Vajana, E., Bomba, L., Garcia, J.F., Ajmone-Marsan, P., Colli, L., 2017. *BITE: an R package for biodiversity analyses*. bioRxiv 181610. doi:10.1101/181610. Citato in 113 articoli (google scholar) (pre-print in scopus)
 - Pereira, A.G.T., Utsunomiya, Y.T., Milanesi, M., Torrecilha, R.B.P., Carmo, A.S., Neves, H.H.R., Carvalheiro, R., Ajmone-Marsan, P., Sonstegard, T.S., Sölkner, J., Contreras-Castillo, C.J., Garcia, J.F., 2016. *Pleiotropic Genes Affecting Carcass Traits in Bos indicus (Nelore) Cattle Are Modulators of Growth*. PLOS ONE 11, e0158165. doi:10.1371/journal.pone.0158165. Citato in 24 articoli
 - Utsunomiya, A.T.H., Santos, D.J.A., Boison, S.A., Utsunomiya, Y.T., Milanesi, M., Bickhart, D.M., Ajmone-Marsan, P., Sölkner, J., Garcia, J.F., da Fonseca, R., da Silva, M.V.G.B., 2016. *Revealing misassembled segments in the bovine reference genome by high resolution linkage disequilibrium scan*. BMC Genomics 17, 705. doi:10.1186/s12864-016-3049-8. Citato in 22 articoli
 - Utsunomiya Y.T., Milanesi M., Utsunomiya A.T.H., Ajmone-Marsan P. and Garcia J.F., 2016. *Ghap: An R package for Genome-wide Haplotyping*. Bioinformatics. doi:10.1093/bioinformatics/btw356. Citato in 29 articoli
 - Bomba L.*, Nicolazzi E.L.*, Milanesi M., Negrini R., Mancini G., Biscarini F., Stella A., Valentini A. and Ajmone-Marsan P., 2015. *Relative extended haplotype homozygosity signals across breeds reveal dairy and beef specific signatures of selection*. Genetics Selection Evolution 47, 25. doi:10.1186/s12711-015-0113-9. Citato in 33 articoli
 - Capomaccio S.*, Milanesi M.*, Bomba L., Cappelli K., Nicolazzi E.L., Williams J.L., Ajmone-Marsan P. and Stefanon B., 2015. *Searching new signals for productive traits through gene based association analysis in three Italian cattle breeds*. Anim Genet 46, 361–370. doi:10.1111/age.12303. Citato in 21 articoli
 - Capomaccio S.*, Milanesi M.*, Bomba L.*, Vajana E. and Ajmone-Marsan P., 2015. *MUGBAS: a species free gene-based programme suite for post-GWAS analysis*. Bioinformatics 31, 2380–2381.

	doi:10.1093/bioinformatics/btv144. Citato in 5 articoli
	- Milanesi M., Vicario D., Stella A., Valentini A., Ajmone-Marsan P., Biffani S., Biscarini F., Jansen G. and Nicolazzi E.L., 2015. <i>Imputation accuracy is robust to cattle reference genome updates</i>. Anim Genet 46, 69–72. doi:10.1111/age.12251. Citato in 7 articoli - Nicoloso L.*, Bomba L.*, Colli L.*, Negrini R., Milanesi M., Mazza R., Sechi T., Frattini S., Talenti A., Coizet B., Chessa S., Marletta D., D'Andrea M., Bordonaro S., Ptak G., Carta A., Pagnacco G., Valentini A., Pilla F., Ajmone-Marsan P., Crepaldi P. and the Italian Goat Consortium, 2015. <i>Genetic diversity of Italian goat breeds assessed with a medium-density SNP chip</i>. Genetics Selection Evolution 47, 62. doi:10.1186/s12711-015-0140-6 [* equal contribution]. Citato in 78 articoli - O'Brien A.M.P., Höller D., Boison S.A., Milanesi M., Bomba L., Utsunomiya Y.T., Carvalheiro R., Neves H.H.R., da Silva M.V.B., VanTassell C.P., Sonstegard T.S., Mészáros G., Ajmone-Marsan P., Garcia F. and Sölkner J., 2015. <i>Low levels of taurine introgression in the current Brazilian Nelore and Gir indicine cattle populations</i>. Genetics Selection Evolution 47, 31. doi:10.1186/s12711-015-0109-5. Citato in 27 articoli - Orozco-terWengel P., Barbato M., Nicolazzi E.L., Biscarini F., Milanesi M., Davies W., Williams D., Stella A., Ajmone-Marsan P. and Bruford M.W., 2015. <i>Revisiting demographic processes in cattle with genome-wide population genetic analysis</i>. Front. Genet 6, 191. doi:10.3389/fgene.2015.00191. Citato in 42 articoli
Editore	- <i>Animal</i> [2022-] (editorial board) - <i>Livestock genomics (sections of Frontiers in Genetics and Frontiers in Veterinary Science)</i> [2020-] (Associate) - <i>Livestock genomics (sections of Frontiers in Genetics and Frontiers in Veterinary Science)</i> [2018-2020] (Guest)
Edizioni speciali	- Guest Editor Special Issue (<i>Animal</i>): “Machine Learning and Statistics Applied to Livestock” - Research Topic Editor (<i>Frontiers in Genetics</i>): “Haplotype Analysis Applied to Livestock Genomics”
Revisore Riviste scientifiche	<i>Zoological Research</i> [2024-]; <i>Proceedings of the Royal Society B</i> [2024-]; <i>Revista Brasileira de Zootecnia</i> [2023-]; <i>Italian Journal of Animal Science</i> [2023-]; <i>Heredity</i> [2022-]; <i>Animal (MDPI)</i> [2022-]; <i>International Journal of Genomics</i> [2022-]; <i>BMC Genomic Data</i> [2021-]; <i>Journal of Animal Science</i> [2021-]; <i>BMC Genomics</i> [2021-]; <i>Scientific Report</i> [2020-]; <i>Veterinary Medicine and Science</i> [2020-]; <i>Ciência Rural</i> [2020-]; <i>Bioinformatics</i> [2020-]; <i>Genome Biology and Evolution</i> [2020-]; <i>Genome</i> [2020-]; <i>Gene Reports</i> [2019-]; <i>Journal of Dairy Science</i> [2019-]; <i>Archives Animal Breeding</i> [2018-]; <i>Animal Biology</i> [2018-]; <i>Livestock Science</i> [2018-]; <i>Animal Genetics</i> [2018-]; <i>Molecular Ecology Resources</i> [2017-]; <i>PLOS ONE</i> [2016-]; <i>Frontiers in Genetics (Livestock genetics)</i> [2015-]; <i>ANIMAL: an international journal of animal bioscience</i> [2015-]
Revisore Altri ruoli	- Revisore per “Swiss National Science Foundation” [2022-] - o Revisione del progetto “Establishing the molecular basis for a new non-invasive contraceptive approach in the dog” - Revisore per National Research, Development and Innovation Office, Hungary (NRDI) [2021-] - o Revisione del progetto “From a joint past to a collaborative future - determination of gene pools for the conservation and development in the Hungarian and Slovenian buffalo sector” - Revisore per “REPRISE”, esperto scientifico MIUR (Italian Ministry of Education, University and Research). [2018-] - o Revisione del progetto dell’“Università degli studi del Piemonte Orientale”, 25/05/2019 - o Revisione per la procedura di valutazione dei prodotti di ricerca presentati dai ricercatori dell’Università di Foggia in risposta al Bando per il conferimento di n. 10 Premi “UniFG Research Awards 2024” per miglior Tesi di Dottorato di ricerca e Prodotti della ricerca – I edizione emanato con Decreto del Rettore n. 1126/2024 (prot. n. 31112-III/12 del 07/06/2024); 05/08/2024.
Insegnamento Altro	- Esercitatore <i>summer school</i> internazionale “<i>Livestock pangenomes: how to construct and exploit whole genome</i>” tenutasi dal 22 al 27 luglio 2024 presso l’Università Cattolica del Sacro Cuore di Piacenza. La summer school è stata supportata dalle EAAP e ASPA. - Docente nel corso “Curso de Reprodução e Genética em Cães e Gatos” presso “Universidade Estadual Paulista” (FMVA - UNESP), Araçatuba campus (Sao Paulo - Brasile). Lezione: “Biotecnologias na área de genômica e suas aplicações”, 24/11/2018. - Docente nel corso post-laurea “Livestock biotechnologies” presso “Universidade Estadual Paulista” (UNESP), Araçatuba campus (Sao Paulo - Brasile). Lezione: “Detection of deleterious variants”, 11/07/2017. - Docente nel corso post-laurea “Livestock biotechnologies” presso “Universidade Estadual Paulista” (UNESP), Araçatuba campus (Sao Paulo - Brasile), 6-17/04/2015. Lezione: “Detection of deleterious variants”. - Docente nel corso INNOVAGEN Winter School “Introduction of statistics in animal genetics” presso “Università Cattolica del Sacro Cuore” (Piacenza - Italia), 21/01-01/02 2019. Lezione: “Introduction to R”.

Membro di società scientifiche	- ASPA (Associazione per la Scienza e le Produzioni Animali) - EAAP (European Federation of Animal Science)
Membro di commissioni	- Membro Commissione ASPA “Tecnologie e applicazioni della genomica” coordinata dal prof. Paolo Ajmone Marsan - Membro di commissioni interne dell’Università della Tuscia per bandi di assegni di ricerca e borse di studio. - Membro commissioni valutazioni dottorandi (CIV) programma di dottorato “Scienze, Tecnologie e Biotecnologie per la Sostenibilità” Università della Tuscia. - Membro del comitato scientifico (revisore abstract e presentazioni orali) “10° Simpósio de Pós-Graduação em Ciência Animal e XVII Semana de Divulgação Científica da Faculdade de Medicina Veterinária”, FMVA – UNESP (Araçatuba – SP- Brasile), 22-23/11/2019. - Membro commissione esaminatrice di difesa - laurea magistrale (master): “Identificação de SNPs em sequência de microRNAs de suínos e os possíveis efeitos na predição de RNAm alvo”. Studente: Gilberto Chiantelli Ferreira. FMVA – UNESP (Araçatuba – SP- Brasile), 27/05/2019 - Membro commissione esaminatrice di difesa - dottorato: “Compreensão do metabolismo de homeotérmicos a adaptações ao estresse pelo calor”. Studentessa: Gabriela da Silva Ferreira. FMVA – UNESP (Araçatuba – SP- Brasile), 21/01/2019 - Membro commissione esaminatrice di qualificazione - dottorato: “Atividade mitocondrial e adaptações fisiológicas de bovinos em resposta ao verão brasileiro”. Studentessa: Gabriela da Silva Ferreira. FMVA – UNESP (Araçatuba – SP- Brasile), 06/12/2018 - Membro commissione esaminatrice di qualificazione - laurea magistrale (master): “Species-specific Leishmania DNA sequences selection and validation”. Studentessa: Beatriz Batista Trigo. FMVA – UNESP (Araçatuba – SP- Brasile), 15/03/2018 - Membro del comitato scientifico (revisore abstract e presentazioni orali) “9° Simpósio de Pós-Graduação em Ciência Animal e XVII Semana de Divulgação Científica da Faculdade de Medicina Veterinária”, FMVA – UNESP (Araçatuba – SP- Brasile), 31/11-01/12 2018. - Membro della commissione esaminatrice “1.ª fase do XXIX Congresso de Iniciação Científica - CIC”, FMVA – UNESP (Araçatuba – SP- Brasile), 16/09/2017.
Tutor e relatore Altro	- Tutor di studenti (laurea, post-laurea) presso “Laboratório de Bioquímica e Biologia Molecular Animal” (LBBMA) – FMVA – UNESP (Araçatuba – SP- Brasile). Incarico: analisi bioinformatiche, genetica e genomica [2015-2020] - Tutor di studenti di scuola superiore presso “Laboratorio di Genetica Animale” – Istituto di zootecnica, UNICATT (Piacenza, Italia). Incarico: attività di laboratorio. [2010-2015]
Progetti di ricerca Altro	In corso - AVITHRAPID “Antiviral Therapeutics for Rapid Response Against Pandemic Infectious Diseases” https://avithrapid.eu/ - SOA16 (OOS-Action 4) Reinforcement of animal resilience https://www.eupahw.eu/. Leader dell’unità - ECOS - “Equine resilience and welfare in Climate change and stressful scenarios using Omic technologies and innovative low cost Sensors”. PRIN2022. Leader dell’unità - MilKEVia - “Valorising milk as natural resource for therapeutic purpose: bovine milk Extracellular Vesicles (mEVs) as anti-inflammatory and immunomodulatory agents”. PRIN22 PNRR. - Centro Nazionale AgriTech, finanziato dall’Unione Europea – NextGenerationEU (PIANO NAZIONALE DI RIPRESA E RESILIENZA (PNRR) – MISSIONE 4 COMPONENTE 2, INVESTIMENTO 1.4 - D.D. 1032 17/06/2022, CN00000022). Periodo 01/09/2022 - 01/01/2026. - “Scala-Medi - Improving sustainability and quality of Sheep and Chicken production by leveraging the Adaptation potential of Local breeds in the Mediterranean area”. Bando PRIMA: Section 1 Call 2020 - Farming Systems (A). Periodo 01/09/2021 - 28/02/2026. Leader WP5. - “Genobu”: Sequenziamento del genoma bufalino per il miglioramento quali-quantitativo delle produzioni agro-alimentari. PON. Periodo 01/01/2021 - 31/01/2025. Responsabile consulenza. - “VarGoats – Identification of Variations in Goat genomes related to domestication and adaptation”. Coordinato da Gwenola Tosser-Klopp (INRA, Francia). Promosso dal “International Goat Genome Consortium”. Coinvolto nei Work Package 3, 7, 8, 13, 14 e 15. Periodo collaborazione: 2016/- http://www.goatgenome.org/vargoats.html. Leader WP15 e parte delle Steering Committee Terminati - “SEBASTIEN”: <i>Smarter livestock Breeding through Advanced Services Tailoring Innovative and multisource data to users’ Needs</i>. Progetto finanziato Connecting European Facility (CEF) Telecommunications sector under agreement number INEA/CEF/ICT/A2020/2373580. Periodo 01/01/2022 - 30/10/2024. Leader WP2. - Progetto ELIXIR-IIB HPC@CINECA “Pipeline for multi-samples RNAseq data variant calling and subsequent analyses”. Responsabile - “MIQUALAT - Miglioramento della qualità nutrizionale e dell’immagine salutistica del latte per i contenuti in molecole funzionali ad azione prebiotica e protettiva”. Bando di riferimento: D.M. N. 27443 del 25/09/2018. Soggetto proponente: Consiglio per la ricerca in agricoltura e l’analisi dell’economia agraria (CREA) - Centro di ricerca Zootecnica e Acquacultura. Coinvolto nelle attività dell’UO 2 (DIBAF) e UO 5. Periodo: 2019-2021. Periodo collaborazione: 2020/2021 - “Highlander – High performance computing to support smart land service”, progetto finanziato dalla comunità europea. Periodo 2019-2022 Sito web: https://highlanderproject.eu/ - “Desenvolvimento e aplicação de ferramentas genômicas para o melhoramento genético em Tilápia do Nilo”.

Finanziamento FAPESP (“São Paulo Research Foundation”) (17/08650-5): Auxílio à Pesquisa - Pesquisa Inovativa em Pequenas Empresas – PIPE. Coordinato da João Lorena Campos (Trigene Consultoria, Importação, Comércio de Produtos para Aquicultura Ltda, Brasile). Coinvolto nello sviluppo del nuovo SNP chip multispecie per tilapia e gambero
[<https://www.thermofisher.com/order/catalog/product/551185?SID=srch-srp-551185#/551185?SID=srch-srp-551185>].

- “IMAGE – Innovative Management of Genetic Resources”. Finanziato da European Union, Horizon 2020, call H2020-SFS-2015-2 - Management and sustainable use of genetic resources. Periodo: 2016-2020.
- “ADAPTmap – An international coordination effort for genotyping and re-sequencing projects of goat breeds”. Promosso dal “International Goat Genome Consortium” e “INRA”, e dai progetti “Nextgen” e “3SR”. Web site: <http://www.goatadaptmap.org/>. Coinvolto nei Work Package 7, 8 e 10. Periodo collaborazione: 2015/-
- “CLIMGEN – Climate Genomics for Farm Animal Adaptation.” Finanziato da FACCE-ERA-NET + Call on Climate Smart Agriculture. Periodo: 2015-2018. Web site: <http://climngen.bios.cf.ac.uk/>. Coinvolto nel Work Package 2.
- “Understanding methylome patterns of cattle adaptation to heat stress”. Finanziato da “Conselho Nacional de Desenvolvimento Científico e Tecnológico” (CNPq) in the “Science without borders” framework (Brasile). Periodo: 2013-2016
- “GENEHOME - Resort tecnologico per la ricerca genomica applicata alle scienze animali”. Finanziato da CNR (Consiglio Nazionale delle Ricerche) (Italia). Periodo: 2013-2016.
- “FECUND - FundamEntal Cattle ReprodUction Study”; Optimisation of early reproductive success in dairy cattle through the definition of new trait and improved reproductive biotechnology. Finanziato da European Union, FP7 - EU Seventh Framework Programme for research, technological development and demonstration under grant agreement n° 312097. Periodo: 2013-2017. Web site: <http://www.fecund-project.eu/>
- PRIN - Progetti di Ricerca di Interesse Nazionale - 2011, “GEN2PHEN - Ricerca delle basi genetiche di nuovi fenotipi legati al benessere, all’efficienza ed alla sostenibilità ambientale delle produzioni dei bovini da latte”. Finanziato da Ministero dell’Istruzione, dell’Università e della Ricerca (Italia). Coordinato da prof. P. Ajmone Marsan. Periodo: 2012-2015. Web site: <http://www.gen2phen.it/the-project/> Periodo collaborazione: 2013/2016
- “PARAMOGGQUAL - Ricerca per l’individuazione di parametri oggettivi di qualità della carcassa e della carne rilevabili in filiera, dei principali fattori ambientali che la influenzano, e di indici genetici dei riproduttori per avviare la selezione dei bovini anche su parametri di qualità della carne”. Finanziato da Ministero delle Politiche Agricole, Alimentari e Forestali (Italia). Periodo: 2011-2013.
- “INNOVAGEN - Ricerca e innovazione nelle attività di miglioramento genetico animale mediante tecniche di genetica molecolare per la competitività del sistema zootecnico nazionale”. Finanziato da Ministero delle Politiche Agricole, Alimentari e Forestali (Italia). Periodo: 2011-2013. Coinvolto nell’unità operativa “Latte bovino” e in altre U.O. Periodo collaborazione: 2012/2014
- “NEXTGEN – Next generation methods to preserve farm animal biodiversity by optimizing present and future breeding options”. Finanziato da European Union, FP7 - EU Seventh Framework Programme, Collaborative Project: Optimisation of methods to maintain farm animal biodiversity - KBBE-2009-1-1-03. Periodo progetto: 2009-2012. Web site: <http://nextgen.epfl.ch/> Periodo collaborazione: 2010/2014
- “SELMOL - Progetto di selezione molecolare per bovini da latte e carne, suini, ovini, caprini, bufali, cavalli e asini”. Finanziato dal Ministero delle Politiche Agricole, Alimentari e Forestali (Italia). Periodo: 2007-2010. Web site: <http://www.selmol.eu/> Periodo collaborazione: 2010
- “Caratterizzazione di razze asinine (*Equus asinus*) allevate nella regione Emilia Romagna attraverso l’analisi del DNA mitocondriale e di marcatori nucleari microsatelliti”. Finanziato da Regione Emilia-Romagna (Italia). Periodo: 2005-2006.

Membro di consorzi

- “VarGoats Consortium” & “International Goat Genome Consortium” (2016-)
- “ADAPTmap Consortium” (2015-)
- “Italian Goat Consortium” (2012-)
- “International Buffalo Consortium” (2012-)

Organizzazione di congressi

- Commissione scientifica “ISAFG: International Symposium on Animal Functional Genomics”. Presso Università Cattolica del Sacro Cuore (Piacenza - Italia), 27-29/07/2015

Organizzazione di corsi

- Commissione organizzativa di Gen2Phen winter school “An introduction to bayesian analysis and MCMC”. Presso Università Cattolica del Sacro Cuore (Piacenza - Italia), 4-6/03/2015
- Commissione organizzativa di Gen2Phen winter school “Precision farming for the sustainability of dairy cattle production”. Presso Università Cattolica del Sacro Cuore (Piacenza - Italia), 3-7/03/2014
- Commissione organizzativa di “Il INNOVAGEN winter school”. Presso Università Cattolica del Sacro Cuore (Piacenza - Italia), 18-22/03/2013
- Commissione organizzativa di “I INNOVAGEN winter school”. Presso Università Cattolica del Sacro Cuore (Piacenza - Italia), 21/01-01/02 2013

ID e siti

ORCID: 0000-0001-6244-7455 | <http://orcid.org/0000-0001-6244-7455>
ResearchID/publons: P-7473-2015 | <https://publons.com/researcher/1223930/marco-milanesi/>
Scopus: 56492690800 | <https://www.scopus.com/authid/detail.uri?authorid=56492690800>
Lattes: <http://lattes.cnpq.br/5793493812556403>
ResearchGate: https://www.researchgate.net/profile/Marco_Milanesi
LinkedIn: <https://it.linkedin.com/pub/marco-milanesi/46/621/244>
Google Scholar: <https://scholar.google.com/citations?user=SWuis-AAAAAJ&hl>

**Poster e
comunicazioni orali**

Partecipazione a 107 contributi. Come presenting author: 11 comunicazioni orali e 4 poster.

Presenting author, primo o ultimo nome

2024 [3]

- **Milanesi M.**, Pietrucci D., Picarone L., Vignali G., Cosenza G., Gomez M., Chillemi G. (2024) *A new version of buffalo SNP array to support Mediterranean breed genomic improvement*. 75° EAAP annual meeting 2024. Firenze (Italy) 1-5/09 (**comunicazione orale - presenting author**)
- **Milanesi M.**, Pietrucci D., Picarone L., Vignali G., Cosenza G., Gomez M., Chillemi G. (2024) *Genomic structure of Mediterranean buffalo breed: a variant analysis for a new dedicated SNP array*. ICACG (**presentazione**)
- S. Gioiosa, X. Dhori, F. Santini, S. Rossi, E. Rossi, G. Chillemi, **Milanesi M.** (2024) *An RNA based approach to automatically call differential genomic variants on HPC clusters*. BITS (**poster**)

2023 [3]

- **Milanesi M.**, Pietrucci D., Vignali G., Chandramouli B., Mancini Marco, Renzi F., Valentini R., Santini M., Negrini R., Chillemi G. (2023) *Contrasting climate change effects on dairy cattle through Machine Learning approach*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (**comunicazione orale - presenting author**)
- **Milanesi M.**, Marchitelli C., Chillemi G., Crisà A. (2023) *RNA-seq profiling of milk somatic cells in four cattle breeds reared in different management systems*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (**poster**)
- **Milanesi M.**, Pietrucci D., Serva L., Renzi F., Vignali G., Evangelista C., Marchesini G., Andrighetto I., Bernabucci U., Valentini R., Chillemi G. (2023) *Machine Learning NIR wavelength selection: application for a low-cost portable instrument for livestock feed management*. MeAveAS 2023, 26-28/04 (Napoli, Italy) (**presentazione orale - presenting author**) (premio come miglior presentazione del congresso)

2022 [1]

- **Milanesi M.**, Chillemi G., Vaglio Laurin G. (2022) *Satelliti e sensori per una gestione smart del pascolo*. 53° AgriUmbria (Italia), 1-3/4 (**comunicazione orale - presenting author**)

2021 [6]

- **Milanesi M.**, Marchitelli C., Contò M., Rinaldi S., Pignotti D., Chillemi G., Crisà A. (2021) *Preliminary results of Genome Wide Association Study with milk functional molecules in different cow breeds*. XXIV ASPA congress. Padova (Italy), 21-24/9 (**comunicazione orale - presenting author**)
- **Milanesi M.**, Pignotti D., Pietrucci D., Sgorlon S., D'Andrea M., Stefanon B., Ajmone Marsan P., Valentini A., Arhondakis S., Chillemi G. (2021) *Assessment of transcriptional activity within isochores in healthy and subclinical cattle*. XXIV ASPA congress. Padova (Italy), 21-24/9 (**poster**)
- **Milanesi M.**, C. Marchitelli, M. Contò, D. Pietrucci, G. Chillemi and A. Crisà (2021) *Preliminary evidence of genes associated with milk fatty acid profile in different cow breeds*. 72° EAAP congress. Davos (Switzerland), 30/08-03/09 (**comunicazione orale - presenting author**)
- **Milanesi M.**, C. Marchitelli, M. Contò, D. Pietrucci, G. Chillemi and A. Crisà (2021) *Insight into the genetic background of sialic acid metabolism in bovine milk*. 72° EAAP congress. Davos (Switzerland), 30/08-03/09 (**comunicazione orale - Marchitelli C. presenting author**)
- **Milanesi M.**, Lovallo C., Marchitelli C., Claps S., Chillemi G., Crisà A. (2021) *Preliminary Genome Wide Association Study with Sialyl Oligosaccharides content in four cattle breeds*. ISAG congress. Online, 26-30/07 (**poster**)
- Chillemi G., **M. Milanesi**, Renzi F., Valentini R. (2021) *Lo sviluppo della sensoristica nell'allevamento*. Seminario Porta Futuro presso Università della Tuscia (DIBAF). Online, 15/06 (**comunicazione orale - presenting author**)

2019 [3]

- Camargo A., **Milanesi M.** (2019) *Ferramentas genômicas aplicadas na aquicultura*. Curso de atualização: melhoramento genético e seleção genômica em peixes. FUNEP-UNESP. Jaboticabal (Brasile), 9/12 (**comunicazione orale - presenting author**)
- **Milanesi M.** (2019) *O impacto da genômica na raça Senepol. Entendendo, fortalecendo e expandindo o 4º pliar do PMGS*. 1º curso PMGS para criadores & III Mega Encontro Internacional da Raça Senepol - ABCB. Uberlândia (Brasile), 30/08-07/09 (**comunicazione orale - presenting author**)
- **Milanesi M.** (2019) *A genômica impulsionando o melhoramento genético*. 29º congresso Brasileiro de zootecnia (Zootec) 2019. Uberaba (Brasile), 13-16/8 (**comunicazione orale - presenting author**)

2017 [2]

- **Milanesi M.**, Capomaccio S., Utsunomiya Y.T., Bomba L., Colli L., Eufemi E., Cappelli K., Nicolazzi E.L., Biffani S., Biscarini F., Aguiar T.S., Mazza R., van Kaam J.T., Finocchiario R., Negrini R., Garcia J.F., Rubin C.J., Nardone A., Macciotta N.P.P., Valentini A., Williams J.L. and Ajmone-Marsan P. (2017) *Chasing deleterious recessives in Italian Holstein dairy cattle*. 68th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science (EAAP). Tallinn (Estonia), 28/8-1/9 (**comunicazione orale** – Ajmone-Marsan P. presenting author)
- **Milanesi M.**, Di Guardo M., Capomaccio S., Cappelli K., Palombo V., D'Andrea M., Del Corvo M., Sgorlon S., Minuti A., Utsunomiya Y.T., Garcia J.F., Trevisi E., Negrini R., Stefanon B., Ajmone-Marsan P. (2017) *Identification of genomic variants associated with metabolic stress in Italian Simmental and Holstein cows*. 22th ASPA congress. Perugia (Italia), 13-16/6 (**comunicazione orale** – Ajmone-Marsan P. presenting author)

2016 [2]

- Ajmone-Marsan P., **Milanesi M.**, Capomaccio S., Utsunomiya Y.T., Bomba L., Colli L., Eufemi E., van Kaam J.T., Cappelli K., Nicolazzi E.L., Biffani S., Negrini R., Garcia J.F., Rubin C.J., Nardone A., Macciotta N.P.P., Valentini A., and Williams J.L. (2016) *Mapping of deleterious variants in Holstein dairy cattle*. 18th ICAR - International Congress on Animal Reproduction. Tours (Francia), 26-30/6 (**comunicazione orale – presenting author**)
- **Milanesi M.**, Utsunomiya Y.T., Zavarez L.B., Schroeder S., Sonstegard T.S., Ajmone-Marsan P., Sölkner J., Garcia J.F. (2016) *Identification of candidate sequence variants driving hotspots of runs of homozygosity in Nellore cattle*. PAG XXIV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 9 -13/1 (**poster**)

2015 [3]

- **Milanesi M.** (2015) *Improving genomic livestock knowledge using high-throughput technology*. "Next Generation Sequencing applications to improve livestock welfare, food security and socioeconomic stability in Brazil". São Paulo (Brasile), 12-16/10 (**comunicazione orale – presenting author**)
- **Milanesi M.**, Capomaccio S., Utsunomiya Y.T., Bomba L., Colli L., Eufemi E., van Kaam J.T., Cappelli K., Nicolazzi E.L., Biffani S., Negrini R., Garcia J.F., Rubin C.J., Nardone A., Macciotta N.P.P., Valentini A., Williams J.L. and Ajmone-Marsan P. (2015) *Combining high density genotyping and exome sequencing to identify deleterious mutation in Italian Holstein bulls*. 6th ISAFG congress. Piacenza (Italia), 27-29/7 (**poster**)
- **Milanesi M.**, Capomaccio S., Utsunomiya Y.T., Bomba L., Colli L., Eufemi E., Van Kaam J.T., Cappelli K., Biffani S., Nicolazzi E.L., Negrini R., Garcia J.F., Rubin C.J., Nardone A., Macciotta N.P.P., Valentini A., Williams J.L., Ajmone Marsan P. (2015) *Combining exome sequencing and high density SNP analysis for the detection of common deleterious recessive mutations segregating in Italian Holstein bulls*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (**comunicazione orale – Ajmone Marsan P. presenting author**)

2013 [1]

- **Milanesi M.**, Ramunno L., Cosenza G., Coletta A., Zicarelli L., Fritz E. R., Koltjes J. E., Reecy J. M., Williams J., Iamartino D., Garcia J. F., Sonstegard T. S., Van Tassell C. P., Ajmone Marsan P. (2013) *Whole genome genetic diversity of buffalo*. XX ASPA congress. Bologna (Italia), 11-13/6 (**comunicazione orale – presenting author**)

Tutti i contributi

2024 [15]

- D. Del Buono, C. Arcuri, M. Milanesi, D. Pietrucci e G. Chillemi (2024) Impact of Thermal Stress on the Reproductive Performance of Italian dairy cattle. An analysis with machine learning techniques. AI HACKATHON FOR LIVESTOCK DATA. UK. (presentazione)
- **Milanesi M.**, Pietrucci D., Picarone L., Vignali G., Cosenza G., Gomez M., Chillemi G. (2024) A new version of buffalo SNP array to support Mediterranean breed genomic improvement. 75° EAAP annual meeting 2024. Firenze (Italy) 1-5/09 (**comunicazione orale - presenting author**)
- S. Ait Tizi, S. Simma, A. Ouhrouch, **M. Milanesi**, B. Badaoui, M. Benbati, B. El Amiri, M. Ibelbachyr, E. M. Sekkour, O. Mahir, N. Tabet-Aoul, F. Z. Mahammi, S. B. S. Gaouar, M. Ben Larbi, E. Somenzi, M. Tixier-Boichard, P. Ajmone Marsan, B. Benjelloun (2024) Genetic diversity of local chickens in the Mediterranean area: Morocco, Algeria and Tunisia. 75° EAAP (presentazione)
- S. Mecocci, D. Pietrucci, **M. Milanesi**, S. Capomaccio, L. Pascucci, C. Evangelista, L. Basiricò, U. Bernabucci, G. Chillemi, K. Cappelli (2024) Transcriptomic characterization of buffalo's extracellular vesicles from colostrum and milk: cargo comparison for potential applications. 75° EAAP (presentazione)
- C. Evangelista, D. Pietrucci, M. Milanesi, L. Basiricò, F. Gabbianelli, U. Bernabucci, G. Chillemi (2024) Characterization of buffalo faecal microbiome depending on ration concentrate level. 75° EAAP (presentazione)
- M. M. Passamonti, **M. Milanesi**, L. Cattaneo, J. Ramirez Diaz, A. Stella, M. Barbato, C. Urbano Braz, R. Negrini, D. Giannuzzi, S. Pegolo, A. Cecchinato, E. Trevisi, J. L. Williams, P. Ajmone Marsan (2024) Unraveling metabolic stress response in dairy cows: genetic control of plasma biomarkers throughout lactation and the transition period. 75° EAAP (poster)
- D. Pietrucci, **M. Milanesi**, C. Evangelista, R. Spina, B. Ronchi, U. Bernabucci, N. Lacetera, G. Chillemi (2024) Remote monitoring of pasture and animals in extensive farming is functional to genetic improvement. 75° EAAP (presentazione)
- M. M. Passamonti, E. Capra, B. Lazzari, **M. Milanesi**, G. De Paula Nogueira, J. F. Garcia, Y. T. Utsunomiya, A. Stella, P. Ajmone Marsan (2024) Comparison between indicine and taurine cattle DNA methylation patterns across different tissues. 75° EAAP (poster)
- R. Negrini, L. Pascarella, C. Melilli, F. Luisi, M. Tolone, **M. Milanesi**, D. Pietrucci, M. Fioretti, L. C. Leo Consortium (2024) Exploiting big data for small ruminants. 75° EAAP (presentazione - invited)
- **Milanesi M.**, Pietrucci D., Picarone L., Vignali G., Cosenza G., Gomez M., Chillemi G. (2024) Genomic structure of Mediterranean buffalo breed: a variant analysis for a new dedicated SNP array. ICACG (**presentazione**)
- L. Picarone, D. Pietrucci, M. Milanesi, G. Matusali, L. Bordi, C. Mija, D. Mariotti, S. Meschi, F. Maggi, G. Chillemi (2024) Characterization of Monkeypox virus transcriptome during infection across different cell lines, using RNA-Seq and clustering algorithms. BITS (poster)
- S. Gioiosa, X. Dhori, F. Santini, S. Rossi, E. Rossi, G. Chillemi, **M. Milanesi** (2024) An RNA based approach to automatically call differential genomic variants on HPC clusters. BITS (**poster**)
- Benelli A., Evangelista C., Spina R., Primi R., Pietrucci D., **Milanesi M.**, Chillemi G., Bernabucci U., Moscetti R. (2024) Near-infrared spectroscopy to

- predict nutritional factors of green forage. IEEE MetroAgriFor (presentazione)
- Michielon, P. Litta, F. Bonelli, S. Faris, D. Giannuzzi, **M. Milanesi**, D. Pietrucci, A. Vezzoli, A. Cecchinato, G. Chillemi, L. Gallo, M. Mele, C. Furlanello (2024) Towards an AI framework for Animal Welfare in the national AGRITECH Center. WIRN (presentazione)
 - N. Tabet Aoul, F. Z. Mahammi, S. F. Boudali, S. Ayad, G. Zitouni, S. B. S. GAOUAR, and the **SCALA-MEDI consortium** (2024) *Genetic and Phenotypic Diversity Assessment of Local Chicken Populations in Algeria: Insights from the PRIMA SCALA-MEDI Project*. 2nd Regional Meeting EAAP (Nicosia, Cipro) 24-26/04 (poster)
- 2023** [15]
- Vignali G., Pietrucci D., **Milanesi M.**, Chandramouli B., Negrini R., Manici M., Santini M., Chillemi G. (2023) *Application of Machine Learning algorithms to evaluate the effect of climate changes on livestock products*. Artificial Intelligence and ecosystem management (Spagna) 17-21/4 (presentazione orale)
 - **Milanesi M.**, Pietrucci D., Vignali G., Chandramouli B., Mancini Marco, Renzi F., Valentini R., Santini M., Negrini R., Chillemi G. (2023) *Contrasting climate change effects on dairy cattle through Machine Learning approach*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (**comunicazione orale - presenting author**)
 - Mecocci S., Pietrucci D., **Milanesi M.**, Capomaccio S., Evangelista C., Basiricò L., Bernabucci U., Chillemi G., Cappelli K. (2023) *Transcriptomic characterization of water buffalo's Extracellular Vesicles from colostrum and milk for their Immunomodulatory Potential*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (presentazione orale)
 - Pietrucci D., **Milanesi M.**, Chandramouli B., Vignali G., Negrini R., Macini M., Santini M., Chillemi G. (2023) *Identification of the most impacting environmental variables on dairy cows milk yield using Machine Learning methods*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (presentazione orale)
 - Capomaccio S., **Milanesi M.**, Vajana E., Bomba L., Chillemi G., Ajmone Marsan P., Colli L. (2023) *BITE v.2: a user friendly R package for genomic analysis*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (presentazione orale)
 - Vignali G., **Milanesi M.**, Pietrucci D., Cosenza G., Gómez M., Chillemi G. (2023) *Toward a new version of medium-density Buffalo SNPchip array for Mediterranean breed*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (poster)
 - **Milanesi M.**, Marchitelli C., Chillemi G., Crisà A. (2023) *RNA-seq profiling of milk somatic cells in four cattle breeds reared in different management systems*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (**poster**)
 - Ajmone Marsan P., Ressaissi Y., Williams J., Stella A., Chillemi G., **Milanesi M.**, Carta A., Valentini R., Tabet A.N., Gaouar S.B.S., Zitouni G., Tixier-Boichard M., Loywyck V., Benjeloun B., Jerrari C., Jannoune A., Ben Larbi M., M'Hamdi N., Khemiri H., El-Hentati H. (2023) *SCALA-MEDI: investigation of genetic and epigenetic adaptation mechanisms in North African livestock*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (poster)
 - Gabbianelli F., Pietrucci D., Brancazi L., Stasolla F. R., Romagnoli G., Pastura G., **Milanesi M.**, Chillemi G. (2023) *Understanding Medieval livestock diversity in Viterbo's Tuscia using aDNA data*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (poster)
 - Barbato M., Somenzi E., Nassisi P., Rullo A., Dellacasa C., Chillemi G., **Milanesi M.**, Valentini R., Donda M., Ajmone Marsan P. (2023) *SEBASTIEN: a Decision Support System for the livestock sector built on environmental, sectoral and geospatial data*. XXV ASPA. Monopoli (Italy), 13-16/06 (poster)
 - Mantino, A., **Milanesi M.**, Finocchi, M., Conte, G., Vignali, G., Chillemi, G., Mele, M. (2023) *A thirty-year assessment of interactions between weather conditions and sheep milk yield and quality*. 74° EAAP (Lyon, France) 26/08-01/09 (presentazione orale)
 - Nassisi P., D'Anca A., Mancini M., Santini M., Milanesi M., Caroli C., Aloisio G., Chillemi G., Valentini R., Negrini R., Ajmone Marsan P. (2023) *An early warning decision support system for disease outbreaks in the livestock sector*. EGU (Vienna, Austria) (poster)
 - **Milanesi M.**, Pietrucci D., Serva L., Renzi F., Vignali G., Evangelista C., Marchesini G., Andrighetto I., Bernabucci U., Valentini R., Chillemi G. (2023) *Machine Learning NIR wavelength selection: application for a low-cost portable instrument for livestock feed management*. MeAveAS 2023, 26-28/04 (Napoli, Italy) (**presentazione orale - presenting author**) (*premio come miglior presentazione del congresso*)
 - Renzi F., **Milanesi M.**, Pietrucci D., Vignali G., Carta A., Ajmone-Marsan P., Chillemi G., Valentini R. (2023) *Design of a flexible, expandable, and customizable sensor network for monitoring livestock behaviour and welfare*. MeAveAS 2023, 26-28/04 (Napoli, Italy) (presentazione orale)
 - Porzio E., **Milanesi M.**, Chiaradia E., Mecocci S., Viganli G., Trabalza-Marinucci M., Renzi F., Valentini R., Cappelli K., Chillemi G., Beccati F., Pepe M. (2023) *Innovative sensors for the assessment of exercise stress in athlete horse*. MeAveAS 2023, 26-28/04 (Napoli, Italy) (presentazione orale)
- 2022** [5]
- J.A. Lenstra, VarGoats Consortium, I.J. Nijman, B.D. Rosen, P. Bardou, T. Faraut, T. Cumer, K.G. Daly, Z. Zheng, Y. Cai, H. Asadollahpour, B. Çınar, Kul, W.-Y. Zhang, G. E. A. Ayin, M. Bakhtin, V.A. Bălteanu, D. Barfield, H. Baird, B. Berger, T. Blichfeldt, G. Boink, S.R.A. Bugiawati, Z. Cai, S. Carolan, E. Clark V. Cubric-Curik, M.I.A. Dagong, T. Dorji, L. Drew, J. Guo, J. Hallsson, S. Horvat, J. Kantanen, F. Kawaguchi, P. Kazymbet, N. Khayatizadeh, N. Kim, M. Kumar Shah, Y. Liao, A. Martinez, J. S. Masangkay, M. Masaoka, R. Mazza, J. McEwan, **M. Milanesi**, F. Md. Omar, Y. Nomura, N.-A. Ouchene-Khelifi, F. Pereira, G. Sahana, S. Sasazaki, A. Da Silva, M. Simčić, J. Sölkner, A. Sutherland, H. Zhang, Econogene Consortium, P. Ajmone-Marsan, D. G. Bradley, L. Colli, C. Drögemüller, C. Lel, H. Mannen, F. Pompanon, G. Tosser-Klopp and J. Yu (2022) *Y-chromosomal haplogroups from wild and domestic goats reveal ancient migrations and recent introgressions*. WCGALP (Olanda), 3-8/7 (presentazione orale)
 - Capra, E., Lazzari, B., **Milanesi M.**, Nogueira, G.P., Garcia, J.F., Ajmone-Marsan, P., Stella, A. (2022). *Bos taurus and Bos indicus reduced representation bisulfite sequencing comparison showed high epigenetic variability in Bos subspecies*. WCGALP (Olanda), 3-8/7 (presentazione orale)
 - Ajmone Marsan P., Negrini R., Colli L., Barbato M., Somenzi E., Ressaissi Y., Williams J.L., Santini M., Chillemi G., **Milanesi M.**, Vajana E., Joost S. (2022) *Genomic methods to seek genes involved in adaptation to climate change*. 1st International Webinar on Valuation and Management of Animal Biodiversity (Algeria), 1-2/6 (presentazione orale)
 - Ajmone Marsan P., Ressaissi Y., Williams J.L., Stella A., Chillemi G., **Milanesi M.**, Carta A., Valentini R., Aoul N.T., Gaouar S.B.S., Zitouni G., Tixier-Boichard M., Loywyck V., Benjeloun B., Jerrari C., Jannoune A., Ben Larbi M., M'Hamdi N., Khemiri H., El-Hentati H. (2022) *The SCALA-MEDI project investigates the genetic basis of sheep and chicken adaptation in three North African countries*. 1st International Webinar on Valuation and Management of Animal Biodiversity (Algeria), 1-2/6 (presentazione orale)
 - **Milanesi M.**, Chillemi G., Vaglio Laurin G. (2022) *Satelliti e sensori per una gestione smart del pascolo*. 53° AgriUmbria (Italia), 1-3/4 (**comunicazione orale - presenting author**)
- 2021** [15]
- **Milanesi M.**, Marchitelli C., Contò M., Rinaldi S., Pignotti D., Chillemi G., Crisà A. (2021) *Preliminary results of Genome Wide Association Study with milk functional molecules in different cow breeds*. XXIV ASPA congress. Padova (Italy), 21-24/9 (comunicazione orale - **presenting author**)
 - Marchitelli C., Pietrucci D., **Milanesi M.**, Casadei L., Porcelli F., Chillemi G., Crisà A. (2021) *Evaluation of milk quality in different cow breeds by biological markers*. XXIV ASPA congress. Padova (Italy), 21-24/9 (comunicazione orale)
 - Zambonelli P., Gioiosa S., **Milanesi M.**, Castrignanò T., Davoli R. (2021) *SNPs and genes identification from muscle and backfat transcriptome of Italian Large White pigs with extreme and divergent fat deposition*. XXIV ASPA congress. Padova (Italy), 21-24/9 (comunicazione orale)
 - **Milanesi M.**, Pignotti D., Pietrucci D., Sgorlon S., D'Andrea M., Stefanon B., Ajmone Marsan P., Valentini A., Arhondakis S., Chillemi G. (2021) *Assessment of transcriptional activity within isochores in healthy and subclinical cattle*. XXIV ASPA congress. Padova (Italy), 21-24/9 (poster)
 - Ramirez Diaz J., **Milanesi M.**, Passamonti M., Barbato M., Bornaghi V., Bongioni G., Cenadelli S., Montedoro M., Achilli A., Cappelli C., Ajmone Marsan P. (2021) *Genome-wide association for semen quality traits in Italian Holstein Bulls*. XXIV ASPA congress. Padova (Italy), 21-24/9 (poster)
 - Mecocci S., S. Capomaccio, D. Petrucci, **Milanesi M.**, L. Pascucci, G. Chillemi, K. Cappelli (2021) *Cow, donkey, and goat milk extracellular vesicles OMIC characterization tells about their anti-inflammatory, immunomodulatory, and antioxidant potential*. 2nd EVITA congress. Lucca (Italy) 20-22/09 (poster)
 - Marchitelli C., Pietrucci D., **Milanesi M.**, Casadei L., Porcelli F., Chillemi G., Crisà A. (2021) *Using of NMR milk metabolomics to evaluate mammary gland health status in dairy cows*. VI RAGUSA SHWA. Online, 15-18/09 (comunicazione orale)
 - Marchitelli C., **Milanesi M.**, Chillemi G., Crisà A. (2021) *Genetic basis of immune response for mastitis in cattle revealed by a Genome Wide Association Study for Somatic Cell Count*. 7° EVIW. Online. 29-31/08 (poster)
 - **Milanesi M.**, C. Marchitelli, M. Contò, D. Pietrucci, G. Chillemi and A. Crisà (2021) *Preliminary evidence of genes associated with milk fatty acid profile in different cow breeds*. 72° EAAP congress. Davos (Switzerland), 30/08-03/09 (comunicazione orale - **presenting author**)
 - **Milanesi M.**, C. Marchitelli, M. Contò, D. Pietrucci, G. Chillemi and A. Crisà (2021) *Insight into the genetic background of sialic acid metabolism in bovine milk*. 72° EAAP congress. Davos (Switzerland), 30/08-03/09 (comunicazione orale)
 - **Milanesi M.**, Lovallo C., Marchitelli C., Claps S., Chillemi G., Crisà A. (2021) *Preliminary Genome Wide Association Study with Sialyl Oligosaccharides content in four cattle breeds*. ISAG congress. Online, 26-30/07 (poster)
 - Bigi D., Rambaldi Migliore N., **Milanesi M.**, Zambonelli P., Negrini R., Verini-Supplizi A., Liotta L., Chegdani F., Agha S., Torroni A., Ajmone-Marsan P., Achilli A., Colli L. (2021) *Donkey worldwide diversity based on control-region data and entire mitochondrial genomes*. ISAG congress. Online, 26-30/07 (poster & presentazione orale)
 - Passamonti M., **Milanesi M.**, J. Ramirez Diaz, A. Stella, M. Barbato, M. Premi, R. Negrini, A. Cecchinato, E. Trevisi, J.L. Williams, and P. Ajmone Marsan (2021) *Can SNPs associated with variation in the level of stress biomarkers be used for the selection of stress resilient dairy cows?* ISAG congress. Online, 26-30/07 (poster & presentazione orale)
 - Mecocci S., Capomaccio S., Pietrucci D., **Milanesi M.**, Chillemi G., Cappelli K. (2021) *OMIC characterization of cow, donkey and goat milk extracellular vesicles reveals their anti-inflammatory and immune-modulatory potential*. 74° SISVET congress. Online, 23/06 (presentazione orale)
 - Chillemi G., **M. Milanesi**, Renzi F., Valentini R. (2021) *Lo sviluppo della sensoristica nell'allevamento*. Seminario Porta Futuro presso Università della Tuscia (DIBAF). Online, 15/06 (comunicazione orale - **presenting author**)
 - Mecocci S., Capomaccio S., Pietrucci D., **Milanesi M.**, L. Pascucci, Chillemi G., Cappelli K. (2021) *OMIC characterization of cow, donkey and goat milk extracellular vesicles reveals their anti-inflammatory and immune-modulatory potential*. 10th ISEV. Online, 18-21/05 (poster)

2020 [1]

- Trigo B.B., **Milanesi M.**, Utsunomiya A.T.H., Garcia J.F., Fortunato A., Lopes F. L., Utsunomiya Y.T. (2020) *Variantes do gene AGUTI contribuem para escurecimento da pelagem em gado Nelore*. 11º Simpósio de Pós-Graduação em Ciência Animal e XIX Semana de Divulgação Científica da Faculdade de Medicina Veterinária, FMVA – UNESP (Araçatuba - SP - Brasile), 22-28/11 (comunicazione orale). Primo posto nella categoria "Trabalho de pesquisa".

2019 [9]

- Camargo A., **Milanesi M.** (2019) *Ferramentas genômicas aplicadas na aquicultura*. Curso de atualização: melhoramento genético e seleção genômica em peixes. FUNEP-UNESP. Jaboticabal (Brasile), 9/12 (comunicazione orale – **presenting author**)
- Trigo B.B., **Milanesi M.**, Utsunomiya A.T.H., Garcia J.F., Utsunomiya Y.T. (2019) *Association between variants of the agouti signaling protein gene (ASIP) and dilution of grey shades in Nellore cattle*. 10º Simpósio de Pós-Graduação em Ciência Animal e XVII Semana de Divulgação Científica da Faculdade de Medicina Veterinária, FMVA – UNESP (Araçatuba - SP - Brasile), 22-23/11 (comunicazione orale)
- Trigo B.B., **Milanesi M.**, Utsunomiya A.T.H., Garcia J.F., Utsunomiya Y.T. (2019) *Variants encompassing the Agouti signaling protein gene are associated with dilution of grey shades in Nellore (Bos indicus) cattle*. X-meeting. Campo dos Jordão (Brasile), 01/11 (poster)
- Alves N.F., Torrecilha R.B.P., **Milanesi M.**, Garcia J.F., Utsunomiya Y.T. (2019) *Termotolerância em bovinos: busca por variantes similares ao SLICK em gado zebuino*. XXXI Congresso de Iniciação Científica UNESP (Araçatuba - SP - Brasile) (poster)
- **Milanesi M.** (2019) *O impacto da genômica na raça Senepol. Entendendo, fortalecendo e expandindo o 4º pilar do PMGS*. 1º curso PMGS para criadores & III Mega Encontro Internacional da Raça Senepol - ABCB. Uberlândia (Brasile), 30/08-07/09 (comunicazione orale – **presenting author**)
- **Milanesi M.** (2019) *A genômica impulsionando o melhoramento genético*. 29º congresso Brasileiro de zootecnia (Zootec) 2019. Uberaba (Brasile), 13-16/8 (comunicazione orale – **presenting author**)
- Barbato M., Colli L., **Milanesi M.**, Utsunomiya Y.T., Herrera J.R.V., Cruz L., Baruselli P., Amaral M.M.J., Drummond M.G., Garcia J.F., Williams J.L.W., International Buffalo Consortium, and Ajmone-Marsan P. (2019) *Investigating introgression of river-buffalo loci in the genome of Brazilian Carabao swamp buffaloes*. 37th International Society for Animal Genetics Conference (ISAG). Lleida (Spagna), 7-12/7 (comunicazione orale)
- Ajmone Marsan P., Del Corvo M., Capra E., Lazari B., Zavarez L., **Milanesi M.**, Utsunomiya Y.T., Utsunomiya A.T., Nogueira G.D.P., Garcia J.F. (2019) *Methylomes of indicine and taurine cattle under heat challenge*. 23th ASPA congress. Sorrento (Italia), 11-14/6 (comunicazione orale)
- Colli L., Barbato M., **Milanesi M.**, Utsunomiya Y.T., Herrera J.R.V., Cruz L., Baruselli S., Amaral M.E.J., Drummond M.G., Garcia J.F., Williams J.L., Internation Water Buffalo Consortium, Ajmone-Marsan P. (2019) *Local ancestry analysis suggests adaptive introgression of river-buffalo derived regions in the genome of Brazilian Carabao swamp buffaloes*. PAG XXVII - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 12-16/1 (comunicazione orale)

2018 [2]

- Garrido A.I., Utsunomiya Y.T., Zavarez L.B., **Milanesi M.**, Chioderoli N.F., Gacia J.F., Nunes C.M. (2018) *Análise de medidas repetidas para a caracterização do fenótipo resistência/susceptibilidade/resiliência de ovinos a nematóides gastrointestinais*. XX congresso brasileiro de parasitologia veterinária, Londrina (Brasile), 17-19/9
- Gaspa G., Cesarani A., **Milanesi M.**, Manca E., Usala M., Ajmone-Marsan P., Dimauro C., Macciotta N.P.P. (2018) *Genome-wide runs of homozygosity mapping through permutation approaches in Italian Holstein*. 11th World Congress on Genetics Applied to Livestock Production (WCGALP). Aotea Centre Auckland, New Zealand, 11-16/2 (paper)

2017 [13]

- **Milanesi M.**, Capomaccio S., Utsunomiya Y.T., Bomba L., Colli L., Eufemi E., Cappelli K., Nicolazzi E.L., Biffani S., Biscarini F., Aguiar T.S., Mazza R., van Kaam J.T., Finocchiaro R., Negrini R., Garcia J.F., Rubin C.J., Nardone A., Macciotta N.P.P., Valentini A., Williams J.L. and Ajmone-Marsan P. (2017) *Chasing deleterious recessives in Italian Holstein dairy cattle*. 68th Annual Meeting of the European Federation of Animal Science (EAAP). Tallinn (Estonia), 28/8-1/9 (comunicazione orale – Ajmone-Marsan P. presenting author)
- **Milanesi M.**, Di Guardo M., Capomaccio S., Cappelli K., Palombo V., D'Andrea M., Del Corvo M., Sgorlon S., Minuti A., Utsunomiya Y.T., Garcia J.F., Trevisi E., Negrini R., Stefanon B., Ajmone-Marsan P. (2017) *Identification of genomic variants associated with metabolic stress in Italian Simmental and Holstein cows*. 22th ASPA congress. Perugia (Italia), 13-16/6 (comunicazione orale – Ajmone-Marsan P. presenting author)
- Vajana E., Barbato M., Colli L., **Milanesi M.**, Rochat E., Fabrizi E., Mukasa C., Del Corvo M., Masembe C., Muwanika V., Kabi F., Negrini R., Joost S., Ajmone-Marsan P., the NEXTGEN Consortium (2017) *Combining landscape genomics and ecological modelling to investigate local adaptation of indigenous Ugandan cattle to East Coast Fever*. 22th ASPA congress. Perugia (Italia), 13-16/6 (comunicazione orale)
- D'Andrea M., Palombo V., **Milanesi M.**, Sgorlon S., Capomaccio S., Conte G., Ajmone-Marsan P. (2017) *Genome-wide association study of milk fatty acid composition in Italian Simmental and Italian Holstein cows*. 22th ASPA congress. Perugia (Italia), 13-16/6 (comunicazione orale)
- Colli L., **Milanesi M.**, Del Corvo M., Talenti A., Bertolini F., Chen M., Crisà A., Daly K., Guldbrandtsen B., Joost S., Lenstra J.A., Nicolazzi E.L., Rochat E., Rosen B.D., Rothschild M.F., Servin B., Sonstegard T.S., Steri R., Vajana E., Van Tassel C.P., Ajmone-Marsan P., Crepaldi P., Stella A., the ADAPTmap Consortium (2017) *Drawing up worldwide goat diversity and post-domestication history: update from ADAPTmap project*. 22th ASPA congress. Perugia (Italia), 13-16/6 (comunicazione orale)
- Talenti A., Frattini S., Mastrangelo S., Portolano B., Lasagna E., Sarti F.M., Ceccobelli S., **Milanesi M.**, Colli L., Ciani E., Soglia D., Sartore S., Ciampolini R., Crisà A., Steri R., Catillo G., Marletta D., Bordonaro S., D'Andrea M., Chessa S., Castiglioni B., Loi P., Sechi T., Carta A., Negrini R., Stella A., Valentini A., Panella F., Pagnacco G., Pilla F., Ajmone-Marsan P., Crepaldi P., the Italian Goat Consortium (2017) *Italian Goat Consortium: a collaborative project to study the Italian caprine biodiversity*. 22th ASPA congress. Perugia (Italia), 13-16/6 (comunicazione orale)
- Palombo V., **Milanesi M.**, Capomaccio S., Sgorlon S., D'Andrea M. (2017) *Pathways interaction analysis for identification of novel candidate genes*. 22th ASPA congress. Perugia (Italia), 13-16/6 (comunicazione orale)
- Capomaccio S., **Milanesi M.**, Nocelli C., Giontella A., Verini-Supplizi A., Branca M., Silvestrelli M., Cappelli K. (2017) *Alternative splicing site disruption as strong candidate for white dominant phenotype in an Italian Trotter*. 22th ASPA congress. Perugia (Italia), 13-16/6 (poster)
- de Athayde F.R.F., do Nascimento L.C., **Milanesi M.**, Ito P.K.R.K., de Oliveira-Rovai F.M., Paulan S.C., Nunes C.M. (2017) *De novo genome assembly of Leishmania (viannia) guyanensis and Leishmania (viannia) shawi*. 6th World Congress on Leishmaniasis. Toledo (Spagna), 16-20/5 (poster)
- Garcia J.F. (2017) *An Assembled Map for Nellore Beef*. PAG XXV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 14-18/1 (comunicazione orale)
- Colli L., Crepaldi P. and **ADAPTmap Consortium** (2017) *Adaptmap WG7 & 8 - Global Diversity and Selection Signatures in Goats*. PAG XXV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 14-18/1 (comunicazione orale)
- Colli L., Rochat E., del Corvo M., Barbato M., **Milanesi M.**, Duruz S., Talenti A., Stella A., Joost S., Crepaldi P., Ajmone-Marsan P. and the ADAPTmap Consortium (2017) *Small ruminant genomics and adaptation to climate*. PAG XXV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 14-18/1 (comunicazione orale)
- Colli L., Eufemi E., **Milanesi M.**, del Corvo M., Barbato M., Negrini R., Laganara C., De Grossi Mazzorin J., Ajmone Marsan P. and Ciani E. (2017) *Ancient DNA Characterization of Sheep Remains from the Medieval Site of Siponto (Southern Italy)*. PAG XXV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 14-18/1 (poster)

2016 [11]

- Ajmone Marsan P., Colli L., **Milanesi M.**, Vajana E., Iamartino D., Bomba L., Puglisi F., Del Corvo M., Nicolazzi E.L., El-din ASS, Herrera JRV, Cruz L., Zhang S., Yang L., Hao X., Zuo F., Lai S., Wang S., Liu R., Gong Y., Mokhber M., Shahrababak H.M., Mao Y., Guan F., Vlaic A., Ramunno L., Cosenza G., Ahmad A., Soysal I., Unal E.O., Cairns M.K., Garcia J.F., Utsunomiya Y.T., Parnpai R., Drummond R.G., Galbusera P., Burton J., Hoal E., Yuznizar Y., Sumantri C., Moioi B., Valentini A., Stella A., Williams J.L. and International Buffalo Consortium(2016). *Global genetic diversity of river and swamp buffalo*. 11th World Buffalo Congress. Cartagena (Colombia), 23-25/11 (comunicazione orale)
- Sölkner J., **Milanesi M.**, Khayatzaadeh N., Utsunomiya A.T., Ferencakovic M., Curik I., Ajmone Marsan P., Garcia J.F. and Utsunomiya Y.T. (2016) *Predicting autozygosity via runs of homozygosity from NGS versus SNP chip data for Nellore bulls*. 67th EAAP congress. Belfast (UK), 29/08-2/09 (comunicazione orale)
- Colli L., Eufemi E., **Milanesi M.**, Del Corvo M., Barbato M., Laganara C., De Grossi Mazzorin J., Ciani E., Ajmone-Marsan P. (2016) *Molecular characterization of sheep remains from the medieval site of Siponto (Apulia, Southern Italy): preliminary results*. 8th World Congress on mountain ungulates - 5th International Symposium on mouflon. Nicosia (Cipro), 28/08-01/09 (poster)
- Nogueira G., Ajmone-Marsan P., **Milanesi M.**, Zavarez L., Aguiar T.S., Sandre D., Maioli M.A., Ferreira G., Bispo G., Stabile S., Caputo R., Toyama C., Garcia J.F., and Lima J.C.P. (2016) *Understanding behaviour patterns of cattle adaptation to heat stress*. Joint Annual Meeting (JAM): ASAS, ADSA, CSAS and WSASAS. Salt Lake City (USA), 19-23/7 (poster). Published on J. Anim. Sci Vol. 94, E-Suppl. 5/1. Dairy Sci. Vol. 99, E-Suppl. 1
- Ajmone-Marsan P., **Milanesi M.**, Capomaccio S., Utsunomiya Y.T., Bomba L., Colli L., Eufemi E., van Kaam J.T., Cappelli K., Nicolazzi E.L., Biffani S., Negrini R., Garcia J.F., Rubin C.J., Nardone A., Macciotta N.P.P., Valentini A., and Williams J.L. (2016) *Mapping of deleterious variants in Holstein dairy cattle*. 18th ICAR - International Congress on Animal Reproduction. Tours (Francia), 26-30/6 (comunicazione orale – **presenting author**)
- Colli L., Eufemi E., Buora M., Di Centa E., **Milanesi M.**, Capomaccio S., Spadotto A., Patrone V., Testolin R., Radovic S., Cattonaro F., Morgante M. and Ajmone-Marsan P. (2016) *Characterization of ancient DNA from Late Roman Age cattle of North-Eastern Italy by Next-generation sequencing: preliminary results*. PAG XXIV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 9-13/1 (poster)
- Colli L., **Milanesi M.**, Vajana E., Iamartino D., Bomba L., Puglisi F., Del Corvo M., Nicolazzi E.L., El-din ASS, Herrera JRV, Cruz L., Zhang S., Yang L., Hao X., Zuo F., Lai S., Wang S., Liu R., Gong Y., Mokhber M., Shahrababak H.M., Mao Y., Guan F., Vlaic A., Ramunno L., Cosenza G., Ahmad A., Soysal I., Unal E.O., Cairns M.K., Garcia J.F., Utsunomiya Y.T., Parnpai R., Drummond R.G., Galbusera P., Burton J., Hoal E., Yuznizar Y., Sumantri C., Moioi B., Valentini A., Stella A., Williams J.L., International Buffalo Consortium, Ajmone Marsan P. (2016). *Water buffalo genomic diversity and post-domestication migration routes*. PAG XXIV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 9-13/1 (comunicazione orale)

- Utsunomiya Y.T., **Milanesi M.**, Garcia J.F., Williams J., International Buffalo Consortium, Ajmone-Marsan P. (2016) *Identification of high and low divergence in the genomes of swamp and river buffalo*. PAG XXIV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 9 -13/1 (comunicazione orale)
- Garcia J.F., Utsunomiya Y.T. and **Milanesi M.** (2016) *From Genomic Selection to Functional Genomics in Bos indicus beef cattle: a case study*. PAG XXIV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 9 -13/1 (comunicazione orale)
- **Milanesi M.**, Utsunomiya Y.T., Zavarez L.B., Schroeder S., Sonstegard T.S., Ajmone-Marsan P., Sölkner J., Garcia J.F. (2016) *Identification of candidate sequence variants driving hotspots of runs of homozygosity in Nellore cattle*. PAG XXIV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 9 -13/1 (poster)
- Capomaccio S., **Milanesi M.**, Sgorlon S., Cappelli K., Utsunomiya Y.T., Del Corvo M., Minuti A., Garcia J.F., Trevisi E., Negrini R., Stefanon B., Ajmone Marsan P. (2016) *Gene-set analysis of GWAS data identifies candidate genes associated to metabolic stress and adaptation in Italian Holstein cows*. PAG XXIV - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 9 -13/1 (poster)

2015 [16]

- **Milanesi M.** (2015) *Improving genomic livestock knowledge using high-throughput technology*. "Next Generation Sequencing applications to improve livestock welfare, food security and socioeconomic stability in Brazil". São Paulo (Brasile), 12-16/10 (comunicazione orale – **presenting author**)
- **Milanesi M.**, Capomaccio S., Utsunomiya Y.T., Bomba L., Colli L., Eufemi E., van Kaam J.T., Cappelli K., Nicolazzi E.L., Biffani S., Negrini R., Garcia J.F., Rubin C.J., Nardone A., Macciotta N.P.P., Valentini A., Williams J.L. and Ajmone-Marsan P. (2015) *Combining high density genotyping and exome sequencing to identify deleterious mutation in Italian Holstein bulls*. 6th ISAFG congress. Piacenza (Italia), 27-29/7 (poster)
- Utsunomiya A.T.H., Padula R.C.M., Sussai T.D.S., Zavarez L.B., Utsunomiya Y.T., **Milanesi M.**, Cipriano R.S., Caminhos M.M.T. and Garcia J.F. (2015) *Detection of loci affecting horn development and coat color in bos indicus cattle*. 6th ISAFG congress. Piacenza (Italia), 27-29/7 (poster)
- Talenti A., **Milanesi M.**, Nicolazzi E.L., Frattini S., Coizet B., Pagnacco G., Williams J.L., Valentini A., Nardone A., Van Kaam J.T., Ajmone-Marsan P. and Crepaldi P. (2015) *Genomic retrospective evaluation of 20 years of selection in Italian Holstein bulls for feet and legs trait*. 6th ISAFG congress. Piacenza (Italia), 27-29/7 (poster)
- Utsunomiya Y.T., **Milanesi M.**, Garcia J.F. and Ajmone-Marsan P. (2015) *GHap: an R package for genome-wide haplotyping*. 6th ISAFG congress. Piacenza (Italia), 27-29/7 (poster)
- Colli L., **Milanesi M.**, Vajana E., Iamartino D., Bomba L., Nicolazzi E.L., El-din ASS, Herrera JRV, Cruz L., Zhang S., Yang L., Hao X., Zuo F., Lai S., Wang S., Liu R., Gong Y., Mokher M., Shahrabak H.M., Mao Y., Guan F., Vlaic A., Ramunno L., Cosenza G., Ahmad A., Soysal I., Unal E.O., Cairns M.K., Garcia J.F., Utsunomiya Y.T., Parnpai R., Drummond R.G., Galbusera P., Burton J., Hoal E., Yusnizar Y., Sumantri C., Moioi B., Valentini A., Stella A., Williams J.L., International Buffalo Consortium, Ajmone Marsan P. (2015) *Patterns of diversity in swamp and river buffalo as revealed by SNP molecular markers*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (comunicazione orale)
- Macciotta N.P.P., Ajmone Marsan P., **Milanesi M.**, Vicario D., Valentini A., Sorbolini S., Dimauro C. (2015) *A comprehensive strategy for detecting genomic regions associated with traits of economic interest using information generated in genomic selection programmes*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (comunicazione orale)
- Capomaccio S., **Milanesi M.**, Vajana E., Bomba L., Eufemi E., Colli L., Negrini R., Capelli K., Nicolazzi E.L., Talenti A., Williams J.L., Stefanon B., Ajmone Marsan P. (2015) *Genome-wide gene-based analysis reveals new associations between SNP and production and morphological traits in Italian Holstein*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (comunicazione orale)
- **Milanesi M.**, Capomaccio S., Utsunomiya Y.T., Bomba L., Colli L., Eufemi E., Van Kaam J.T., Cappelli K., Biffani S., Nicolazzi E.L., Negrini R., Garcia J.F., Rubin C.J., Nardone A., Macciotta N.P.P., Valentini A., Williams J.L., Ajmone Marsan P. (2015) *Combining exome sequencing and high density SNP analysis for the detection of common deleterious recessive mutations segregating in Italian Holstein bulls*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (comunicazione orale – Ajmone Marsan P. presenting author)
- Talenti A., **Milanesi M.**, Nicolazzi E.L., Nicoloso L., Frattini S., Coizet B., Pagnacco G., Williams J.L., Ajmone Marsan P., Crepaldi P. (2015) *Birth date regression to identify genomic signatures of recent selection in Italian Holstein*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (comunicazione orale)
- Puledra A., **Milanesi M.**, Gaspa G., Dimauro C., Ajmone Marsan P., Macciotta N.P.P. (2015) *Study of genomic prediction accuracy using high density SNP panel in Italian Holstein cattle*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (comunicazione orale)
- Bomba L., Daetwyler H.D., MacLeod I.M., Bolormaa S., Chamberlain A.J., Colli L., **Milanesi M.**, Vajana E., Hayes B.J., Ajmone Marsan P., NEXTGEN Consortium (2015) *Investigation of Bos indicus and Bos taurus admixture in Sanga cattle from Uganda by whole genome sequence analysis*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (comunicazione orale)
- D'Andrea M., Guiatti D., Serra A., **Milanesi M.**, Sgorlon S. (2015) *Fatty acids milk composition in Italian Simmental and Italian Holstein cows*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (comunicazione orale)
- Colli L., **Milanesi M.**, Bomba L., Vajana E., Negrini R., Eufemi E., Capomaccio S., Mazza R., Stella A., Joost S., Stucki S., Taberlet P., Pompanon F., Kabi F., Muwanika V., Masembe C., Ajmone Marsan P., NEXTGEN Consortium (2015) *Genomic diversity and population structure of Ugandan taurine and zebuine cattle breeds*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (poster)
- Vajana E., Colli L., **Milanesi M.**, Bomba L., Negrini R., Capomaccio S., Eufemi E., Mazza R., Stella A., Joost S., Stucki S., Taberlet P., Pompanon F., Kabi F., Muwanika V., Masembe C., Ajmone Marsan P., NEXTGEN Consortium (2015) *Modelling the spatial distribution of Theileria parva (Theiler 1904), causative agent of East Coast Fever disease in cattle*. XXI ASPA congress. Milan (Italia), 9-12/6 (poster)
- Ajmone Marsan P., **Milanesi M.**, Vajana E., Iamartino D., Bomba L., Nicolazzi E.L., El-din ASS, Herrera JRV, Cruz L., Zhang S., Yang L., Hao X., Zuo F., Lai S., Mokher M., Vlaic A., Ramunno L., Cosenza G., Ahmad A., Soysal I., Özkun Ünal E., Ketudat-Cairns M., Parnpai R., Drummond MG, Garcia J.F., Utsunomiya Y.T., Galbusera P., Burton J., Hoal E., Yusnizar Y., Sumantri C., Moioi B., Valentini A., Colli L., Stella A., Williams J. and International Buffalo Consortium (2015) *Diversity and Origins of Domestic Buffalo*. PAG XXIII - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 10 -14/1 (comunicazione orale)

2014 [7]

- Capomaccio S., **Milanesi M.**, Bomba L., Vajana E., Colli L., Eufemi E., Negrini R. and Ajmone-Marsan P. (2014) *Exome data on the Holstein Friesian cattle breed: Investigation of causative mutations associated with female fertility*. Animal Genome Informatics. Cambridge (UK), 29/9 – 3/10. (poster)
- Colli L., Eufemi E., Buora M., Di Centa E., **Milanesi M.**, Capomaccio S., Spadotto A., Patrone V., Testolin R., Cattonaro F., Morgante M e Ajmone-Marsan P. (2014) *Next-generation sequencing of ancient DNA from Late Roman Age cattle of North-Eastern Italy: preliminary results*. Livestock Genomics. Cambridge (UK), 18-20/9. (comunicazione orale)
- Ajmone-Marsan P. and **Italian Goat Consortium** (2014) *The coalition between Italian goats and Italian researchers: the Italian Goat Consortium*. ESF Genomic-Resources Conference "Livestock Genomic Resources in a changing World". Cardiff (UK), 17-19/6. (comunicazione orale)
- Colli L., Bomba L., **Milanesi M.**, Vajana E., Negrini R., Eufemi E., Capomaccio S., Mazza R., Stella A., Joost S., Stucki S., Taberlet P., Pompanon F., Kabi F., Muwanika V., Masembe C., Ajmone-Marsan P. and The NEXTGEN Consortium (2014) *Genomic diversity and Population Structure Analysis of Ugandan Cattle by means of Medium and High Density SNP Panels*. ESF Genomic-Resources Conference "Livestock Genomic Resources in a changing World". Cardiff (UK), 17-19/6. (poster)
- Ajmone-Marsan P., Bomba L., Nicolazzi E.L., Negrini R., **Milanesi M.**, Mancini G., Biffani S., Biscarini F., Stella A. e Valentini A. (2014) *Detection of Selection Signatures in Italian Dairy and Beef Cattle*. Food, Nutrition and Agriculture Genomics Congress. London (UK), 7-8/4. (comunicazione orale)
- Colli L., Bomba L., **Milanesi M.**, Negrini R., Eufemi E., Capomaccio S., Mazza R., Stella A., Joost S., Stucki S., Taberlet P., Pompanon F., Kabi F., Muwanika V., Masembe C., Ajmone Marsan P. and The NEXTGEN Consortium (2014) *Population structure of ugandan taurine and zebuine cattle breeds as revealed by medium and high density SNP Chips*. PAG XXII - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 11 -15/1. (poster)
- Ajmone Marsan P., Iamartino D., Bomba L., Nicolazzi E.L., El-din A.S.S., Herrera J.R.V., Cruz L., Zhang S., Mokher M., Vlaic A., Ramunno L., Cosenza G., Ahmad A., Soysal I., Ketudat-Cairns M., Parnpai R., Drummond M.G., Garcia J.F., Galbusera P., Burton J., Hoal E., Valentini A., Moioi B., **Milanesi M.**, Colli L., Stella A. and Williams J. (2014) *An overview of Bubalus bubalis genetic diversity*. PAG XXII - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 11 -15/1. (comunicazione orale)

2013 [8]

- Bomba L., Nicolazzi E.L., Utsunomiya Y.T., Negrini R., **Milanesi M.**, Mancini G., Pariset L., Santus E., Vicario D., Rossoni A., Valentini A., Nardone A., Garcia J.F., Ajmone Marsan P. (2013) *Comparison of Extended Haplotype Homozygosity (EHH) signals across breeds reveals signatures of selection for dairy and beef production*. 5th International Symposium on Animal Functional Genomics (ISAFG). Guarujá/SP (Brasile), 9-11/9 (poster)
- Ajmone Marsan P., **Milanesi M.**, Bomba L., Negrini R., Colli L., Nicolazzi E., Capomaccio S., Mazza R., Bacciu N., Stefanon B. (2013) *Advantages of High-Density genotyping for morphologic and production traits GWAS in Italian Holstein*. 64th annual meeting of the European Federation of Animal Science (EAAP). Nantes (Francia), 26-30/8 (poster)
- Negrini R., **Milanesi M.**, Eufemi E., Mazza R., Stella A., Joost S., Stucki S., Taberlet P., Pompanon F., Kabi F., Muwanika V., Masembe C., Colli L. & the NEXTGEN Consortium (2013) *Introgression of European Bos taurus genome in Ugandan taurine and zebuine cattle breeds*. 64th annual meeting of the European Federation of Animal Science (EAAP). Nantes (Francia), 26-30/8 (comunicazione orale)
- **Milanesi M.**, Ramunno L., Cosenza G., Coletta A., Zicarelli L., Fritz E. R., Koltes J. E., Reecy J. M., Williams J., Iamartino D., Garcia J. F., Sonstegard T. S., Van Tassell C. P., Ajmone Marsan P. (2013) *Whole genome genetic diversity of buffalo*. XX ASPA congress. Bologna (Italia), 11-13/6 (comunicazione orale – **presenting author**)
- Colli L., **Milanesi M.**, Eufemi E., Kabi F., Muwanika V., Masembe C., Joost S., Stucki S., Taberlet P., Pompanon F., Mazza R., Stella A., Negrini R. (2013) *Introgression of European Bos taurus genome in Ugandan taurine and zebuine cattle breeds*. XX ASPA congress. Bologna (Italia), 11-13/6 (comunicazione orale)
- Bomba L., Nicolazzi E.L., Negrini R., Bacciu N., **Milanesi M.**, Mancini G., Pariset L., Santus E., Vicario D., Rossoni A., Valentini A., Nardone A., Ajmone

Partecipazione a conferenze e seminari

- Marsan P. (2013) *Selection signatures in five cattle breeds detected by a 50K single nucleotide polymorphism panel*. XX ASPA congress. Bologna (Italia), 11-13/6 (poster)
- Bomba L., Colli L., Milanesi M., Kabi F., Muwanika V., Masembe C., Joost S., Stucki S., Taberlet P., Pompanon F., Mazza R., Stella A., Ajmone Marsan, P., Negrini R. and NextGen Consortium (2013) *Analysis of B. taurus and B. indicus admixture in Uganda as revealed by the Illumina BovineSNP50 Genotyping BeadChip*. PAG XXI - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 12 -16/1. (poster)
- Ajmone-Marsan P., Milanesi M., Bomba L., Colli L., Bacciu N., Ramunno L., Cosenza G., Coletta A., Zicarelli L., Fritz E., Koltes J., Reecy J.M., Williams J., Iamartino D., Sonstegard T.S., Van Tassell C.P. and The International Buffalo Consortium (2013) *Biodiversity Among Buffalo Genomes*. PAG XXI - Plant and Animal Genome Conference. San Diego, California (USA), 12 -16/1. (comunicazione orale)
- 2012 [2]**
- Negrini R., Ajmone Marsan P., E. Nicolazzi L., L. Bomba, Bacciu N., M. Milanesi, G. Mancini, Pariset L., A. Valentini, A. Nardone (2012) *A genome-wide study of selection signatures in five cattle breeds*. ISAG 2012. Cairns (Australia), 15-20/7 (poster)
- Bacciu N., L. Bomba, Nicolazzi EL, M. Milanesi, Negrini R., Ajmone-Marsan P. (2012) *Linkage disequilibrium and haplotype analysis of two holstein BTA6 Italian regions using 50k and 800k SNP panels*. 16th QTL-MAS Workshop, Alghero, 24-25/5 (comunicazione orale)
- 2011 [3]**
- Colli L., Negrini R., Nicolazzi E.L., Milanesi M., Eufemi E., Mazza R., Bacciu N., Bomba L., Murelli E., Ajmone-Marsan P. (2011) *International cooperation projects for the characterization and conservation of livestock biodiversity*. Conference "Feeding the planet: the Catholic University and international cooperation." (poster)
- Ferrante I., Spagnolo B., Sassano D., Ciampini D., Cognolato L., Mazza R., Milanesi M., Ajmone Marsan P., Losio MN (2011) *Bovine infection tested by Lab-on-Chip based analytical system*. "Lab-on-a-Chip European Congress" (Hamburg - Germania) (poster)
- Nicolazzi EL, Negrini R., Mazza R., Mancini G., Chegdani F., Milanesi M., Filippini F., Alberta A. (2011) *Searching for signatures of selection in Italian cattle breeds using the 54k SNP panel*. Italian Journal of Animal Science, 10 (1) (comunicazione orale)
- 75° EAAP congress. Firenze (Italy) 1-5/09/2024
- XXV ASPA congress. Monopoli, Bari (Italy), 13-16/06/2023
- 2023 IEEE International Workshop on Measurements and Applications in Veterinary and Animal Sciences (MeAVeAS). Napoli (Italy), 26-28/04/2023
- XXIV ASPA congress. Padova (Italy), 21-24/09/2021
- Techagricolture. Napoli (Italy), 16-18/05/2022
- 72° EAAP congress. Davos (Switzerland), 30/08-03/09/2021
- ISAG congress. Online, 26-30/07/2021
- International Sheep Genomics and the International Goat Genome Consortiums combined virtual meeting. 8-11/06/2021
- Curso de atualização: melhoramento genético e seleção genômica em peixes. FUNEP-UNESP. Jaboticabal (Brasile), 09/12/2019
- 1° curso PMGS para criadores & III Mega Encontro Internacional da Raça Senepol - ABCB. Uberlândia (Brasile), 30/08-07/09/2019
- 29° congresso Brasileiro de zootecnia (Zootec) 2019. Uberaba (Brasile), 13-16/8
- "18th International Congress on Animal Reproduction (ICAR)". Tours (Francia), 26-30/06/2016
- "PAG XXIV - Plant and Animal Genome Conference". San Diego, California (USA), 9 -13/01/2016
- "Next Generation Sequencing applications to improve livestock welfare, food security and socioeconomic stability in Brazil". Researcher Links Workshop, 12-16/10/2015, São Paulo, Brasile
- "ISAFG: International Symposium on Animal Functional Genomics". Presso Università Cattolica del Sacro Cuore (Piacenza - Italia), 27-29/07/2015
- "Genomics Workshop 2013: La Qualità sta nel DNA". Presso Parco Tecnologico Padano (Lodi - Italy) – 2/10/2013
- "20th ASPA congress". Bologna, – 11-13/06/2013
- "Italian Bio R day". Presso Parco Tecnologico Padano (Lodi - Italy) – 30/11/2012
- "Evoluzione, opportunità e progetti di ricerca dei metodi di selezione e riproduzione assistita nell'allevamento della vacca e della bufala". Presso CremonaFiere (Cremona - Italia), 26/10/2012
- "Genomics Workshop 2012: Making Sense of Next Generation Sequencing". Presso Parco Tecnologico Padano (Lodi - Italy) – 25/10/2012
- "Nuove frontiere nella ricerca dei patogeni alimentari: la Real Time e la Immuno Separazione Magnetica (IMS) come soluzione certificata e flessibile alle esigenze emergenti " Life Technologies. Presso "Una Century Hotel" (Milan - Italia) – 28/06/2012
- "La genomica al servizio dell'agricoltura", Centre for Biodiversity Research and Ancient DNA. Presso UCSC (Piacenza - Italia) – 25/05/2012
- "Comprendere la biodiversità moderna attraverso l'analisi del DNA antico " Center of Biodiversity Research and Ancient DNA. Presso UCSC (Piacenza - Italia) – 18/01/2012
- "Genomics for research and molecular diagnostics - 2011" Presso Parco Tecnologico Padano (Lodi - Italia) – 13/10/2011

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali (facoltativo)".

Dichiaro che quanto sopra riportato è veritiero e comprovabile. A richiesta, posso fornire copia della documentazione originale.

Viterbo, 14/01/2025

Marco Milanesi